

(19) **KG** (11) **357** (13) **C2**

(51)<sup>7</sup> C12N 15/19; C12P 21/02; C07K 14/00; A61K  
38/00; C12N 1/21, C12N 5/10, C12N 1/19, //  
C12N 1: 21, C12R 1: 19, C12N 1: 19,  
C12R 1: 865



ГОСУДАРСТВЕННОЕ АГЕНТСТВО ПО НАУКЕ И  
ИНТЕЛЛЕКТУАЛЬНОЙ СОБСТВЕННОСТИ  
ПРИ ПРАВИТЕЛЬСТВЕ КЫРГЫЗСКОЙ РЕСПУБЛИКИ (КЫРГЫЗПАТЕНТ)

## (12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ к патенту Кыргызской Республики

---

---

(21) 970018.1

(22) 10.02.1997

(31) 91/03904, 92/00137

(32) 29.03.1991, 08.01.1992

(33) FR

(86) PCT/FR 92/00280 (27.03.1992)

(46) 30.12.2002, Бюл. №12

(71) (73) САНОФИ-СИНСЕЛЭБО (FR)

(72) Капю Д. (FR), Феррара П. (AR), Гийемо Ж.К. (FR), Кагад М. (FR), Ляби-Ле Бутейе К. (FR), Леплятуа П. (FR), Магазин М. (US), Минти А. (GB)

(56) K.D. Brown, S.M. Zurawski, T.R. Mosmann and G. Zurawski. A Family of small inducible proteins secreted by leukocytes are members of a new superfamily that includes leukocyte and fibroblast-derived inflammatory agents, growth factors, and indicators of various activation processes // The Journal of Immunology, 1989. – Vol. 142. – №2. – P. 679-687,  
WO-A1-90/07009, 1990

(54) Протеин с цитокиновой активностью, рекомбинантная ДНК, кодирующая этот протеин, трансформированные клетки и микроорганизмы

(57) Изобретение относится к протеину с активностью цитокинового типа или к предшественнику этого протеина, который включает последовательность следующих аминокислот (a<sub>1</sub>):

Gly	Pro	Val	Pro	Pro	Ser	Thr	Ala	Leu	Arg	Glu	Leu	Ile	Glu	Glu	Leu
1							5			10			15		
Val	Asn	Ile	Thr	Gln	Asn	Gln	Lys	Ala	Pro	Leu	Cys	Asn	Gly	Ser	Met
			20						25				30		
Val	Trp	Ser	Ile	Asn	Leu	Thr	Ala	Xaa	Met	Tyr	Cys	Ala	Ala	Leu	Glu
			35					40			45				
Ser	Leu	Ile	Asn	Val	Ser	Gly	Cys	Ser	Ala	Ile	Glu	Lys	Thr	Gln	Arg
	50					55				60					
Met	Leu	Ser	Gly	Phe	Cys	Pro	His	Lys	Val	Ser	Ala	Gly	Gln	Phe	Ser
	65			70				75		80					
Ser	Leu	His	Val	Arg	Asp	Thr	Lis	Ile	Glu	Val	Ala	Gln	Phe	Val	Lys
	85			90					95						
Asp	Leu	Leu	Leu	His	Leu	Lys	Lys	Leu	Phe	Arg	Glu	Gly	Arg	Phe	Asn
	100							105			110				

В которой Xaa означает Asp или Gly. 8 н.п. ф-лы, 7 табл., 9 ил.

Предметом изобретения является новый протеин с цитокиновой активностью, методы генной инженерии для его продуцирования, а именно метод рекомбинантной ДНК, вектор экспрессии, несущий эту рекомбинантную ДНК, прокариоты и эукариотические клетки, содержащие эту рекомбинантную ДНК, а также лекарственное средство, использующееся в качестве иммуномодулятора, содержащее в качестве активного ингредиента этот протеин.

Известно, что иммунная система включает клеточные элементы и растворимые вещества, секретируемые цитокинами. Они представляют собой протеины, которые обеспечивают связывание между эмбрической клеткой и соответствующей клеткой-мишенью, либо в иммунной системе, либо в другой биологической системе организма. Цитокины обычно обладают биологической, так называемой плейотропной активностью: они могут оказывать множественные воздействия на клетку-мишень, как: пролиферация, дифференциация, цитолиз, активация, хемотаксис. Множество из этих молекул уже нашло применение в терапии, например, интерлейкин-2- или α-интерферон, используемые для лечения некоторых опухолей путем иммунотерапии, и миелопоэтические факторы, такие как GCSF (стимулирующий гранулоцитную колонию фактор) или GM-CSF (стимулирующий гранулоцитную моноцитную колонию фактор), которые стимулируют рост и дифференциацию клеток крови и таким образом способствуют обогащению крови, обедненной этими клетками, например, вследствие химиотерапии.

О цитокинах имеются следующие сведения.

Они способствуют секреции протеинов. Секреция протеина, следовательно, в особенности цитокина, чаще всего происходит по механизму, который включает гидролиз аминоконцевой гидрофобной области преобразуемого протеина, называемой предпептидной последовательностью или сигнальным пептидом, во время экскреции зрелого протеина в среде (Von Heijne G., 1986, Nucl. Ac. Res., 14, 4683-4690).

Большинство пептидных последовательностей известных цитокинов включает по существу один сигнальный пептид. Цитокины обычно соответствуют протеинам, индуцируемым либо другими цитокинами (K. Matsushima и др., 1988, J. Exp. Med., 167, 1883-1893. – Shimizu H. и др., 1990, Mol. Cell. Biol., 10, 561-568), либо химическими активаторами пролиферации и дифференциации клеток, такими как липополисахариды, кальций-ионофоры, например, калимицин, циклический дигидроаденозин-5'-монофосфат, диметилсульфоксид, ретиноевая кислота, конканавалин А, фитогемагглютинин (PHA-P) и сложные эфиры форбала, например, 2-миристат-3-ацетат форбала (PMA) (Muegge K. и Duran S.K., 1990, Cytokine 2, 1-8. – C. B. Thompson и др., 1989, Proc. Natl. Acad. Sci., 86, 1333-1337); либо антителами против поверхностных молекул, таких как поверхностные антигены CD2, CD3, CD28 и CD40 (Thomson C. B. и др., см. вышеуказанную ссылку; и Rousset F. и др., 1991, J. Exp. Med., 173, 703-710).

При временной индукции цитокинов информационные (матричные) РНК цитокинов являются нестабильными. В случае большинства цитокинов они имеют области, обогащенные A и U, особенно последовательность AUUUA, обобщающая типичная нестабильная последовательность выявлена D. Caput и др., 1986, Proc. Ntl. Acad. Sci. USA, 83, 1670-1674; G. Shaw и др., 1986, Cell, 46, 659-667, а также K. Peppel и др., 1991, J. Exp. Med., 173, 349-355.

Преобладающее большинство известных цитокинов синтезируются клетками иммунной системы, особенно моноцитами и вспомогательными Т-лимфоцитами периферической крови (Ullman K.S. и др., 1989, Ann. Rev. Imm., 8, 421-452 и работа "Macrophage derived cell regulatory factors". – C. Sorg, опубликованная в 1989 г. Karger-Bale-Suisse). Их синтез индуцируется указанными индукторами.

Кроме того, известно, что из мононуклеарных клеток периферической крови, образованных в основном лимфоцитами и моноцитами, культивированных и стимулированных с помощью различных индукторов, таких как фитогемагглютинин, 2-миристат-3-ацетат форбала и моноклональное антитело против CD2, можно сконструировать банк комплементарной ДНК без убиквитарных последовательностей комплементарной ДНК в клетках животных, и, следовательно, обогащенный комплементарной ДНК, кодирующей цитокины (H.C. Chang и др. Eur. J. Imm., 1989, 19, 1045-1051; P.F. Zipfel и др., 1989, Mol. Cell. Biol., 9, 1041-1048).

С другой стороны, известно (C. B. Thompson и др., 1989, Proc. Ntl. Acad. Sci., 86, 1333-1337; и Lindsten T. и др., 1989, Science, 244, 339), что производство цитокинов (называемых лимфокинами) Т-лимфоцитами является более значительным, следовательно, соответствует гораздо большим количествам информационных РНК, при стимуляции с помощью бинарной комбинации: 2-миристат-3-ацетат форбала и фитогемагглютинин или 2-миристат-3-ацетат

форбола и анти-CD28-антитело, чем только с помощью 2-миристат-3-ацетат форбола; и с помощью бинарной композиции: 2-миристат-3-ацетат форбола и фитогемагглютинин, чем с тройной комбинацией: 2-миристат-3-ацетат форбола, фитогемагглютинин и циклоспорин А, причем циклоспорин А очевидно оказывает ингибирующее воздействие на транскрипцию информационных РНК цитокинов (Thompson и др., см. вышеуказанную ссылку; и Mattila и др., 1990, EMBO J., 9, 4425-4433).

Эта дифференциальная экспрессия информационных РНК цитокинов в различных условиях стимулирования может служить "просеиванием", называемым "дифференциальным просеиванием" (criblage différentiel), банка комплементарной ДНК, содержащей последовательности, кодирующие цитокины, с целью селекционирования этих последних последовательностей (см. особенно Dworkin и др., 1980, Dev. Biol., 76, 449-464; Cochran B. M. и др., 1983, Cell, 33, 939-947; и Zipfel P.F. и др., 1989, Mol. Cell. Biol., 9, 1041-1048). В самом деле, из двух информационных РНК, соответствующих двум состояниям стимуляции клеток, называемых здесь состояние стимуляции 1 и состояние стимуляции 2, причем состояние стимуляции 2 считается более обогащенным информационными РНК, кодирующими цитокины, чем состояние 1, можно сконструировать два радиоактивных зонда, называемых соответственно зонд 1 и зонд 2, которые являются транскриптами, получаемыми с помощью обратной транскриптазы этих двух информационных РНК. Эти два зонда гибридизируют с бактериальными колониями, содержащими последовательности комплементарной ДНК банка. Бактериальные колонии, содержащие комплементарную ДНК, где информационная РНК преобладающее изменяется между двумя состояниями активации, дают дифференциальные сигналы с двумя зондами, причем гибридизация более значительная для "захваченных" клонов (которые соответствуют индуцируемым протеинам) в случае зонда 2, чем зонда 1.

Кроме того, известно, что клетки COS, клетки обезьяньих почек, экспрессирующие Т-антитела вируса SV40 (Gluzman Y., Cell, 23 1981, 175-182), которые допускают репликацию векторов, содержащих источник репликации ДНК вируса SV40, выбирают для изучения экспрессии генов в клетках животных и секреции экспрессированных (экспрессированных) протеинов. Секреция протеина в этих клетках указывает, что его секretирует (выделяет) клетка, которая его естественно продуцирует (H. C. Chang и др., Eur. J. Imm., 1989, 19, 1045-1051, и W. Y. Weiser., 1989, Proc. Ntl. Acad. Sci. US 86, 7522-7526).

Предметом изобретения является протеин с активностью цитокинового типа, или предшественник этого протеина, который включает следующую аминокислотную последовательность (a<sub>1</sub>):

Gly	Pro	Val	Pro	Pro	Ser	Thr	Ala	Leu	Arg	Glu	Leu	Ile	Glu	Glu	Leu
1								5				10			15
Val	Asn	Ile	Thr	Gln	Asn	Gln	Lys	Ala	Pro	Leu	Cys	Asn	Gly	Ser	Met
												20		25	30
Val	Trp	Ser	Ile	Asn	Leu	Thr	Ala	Xaa	Met	Tyr	Cys	Ala	Ala	Leu	Glu
												35		40	45
Ser	Leu	Ile	Asn	Val	Ser	Gly	Cys	Ser	Ala	Ile	Glu	Lys	Thr	Gln	Arg
										50		55		60	
Met	Leu	Ser	Gly	Phe	Cys	Pro	His	Lys	Val	Ser	Ala	Gly	Gln	Phe	Ser
										65		70		75	80
Ser	Leu	His	Val	Arg	Asp	Thr	Lis	Ile	Glu	Val	Ala	Gln	Phe	Val	Lys
										85		90		95	
Asp	Leu	Leu	Leu	His	Leu	Lys	Leu	Phe	Arg	Glu	Gly	Arg	Phe	Asn	
										100		105		110	

в которой Xaa обозначает Asp или G1y,

или последовательность, имеющую высокую степень гомологии с последовательностью

(a<sub>1</sub>).

Высокая степень гомологии здесь означает гомологию идентичности (соотношение между идентичными аминокислотами и общим числом аминокислот), по крайней мере, на 80 %, и предпочтительно, по крайней мере, на 90 % аминокислотных последовательностей, когда их сравнивают по максимальной гомологии, согласно методу оптимального согласования последовательностей Needleman и Wunsch, 1970, J. Mol. Biol., 48, 443-453. Этот алгоритмический метод, соглас-

но которому рассматривают все возможные согласования и создают согласованный ряд, в котором как можно больше идентичных аминокислот подбирают под пары и число пропусков в согласованных последовательностях является минимальным, особенно используют в программном обеспечении UWGCG университета в Висконсине: Devereux и др., 1984, Nucl. Ac. Res., 12, 8711-8722 – версия GAP.

Уже известной пептидной последовательностью, наиболее близкой к таковой последовательности ( $a_1$ ) из 112 аминокислот, является последовательность из 132 аминокислот, полученная из комплементарной ДНК протеина P600 мыши, описанная K.D. Brown и др., 1989, J. Immunol., 142, 679-687 (протеин, экспримированный ТН2-лимфоцитами мыши, функция которого не выяснена). Сравнение этих пептидных последовательностей с помощью метода Needleman и Wunsch, 1970, J. Mol. Biol., 48, 443-453, показывает, что 63 аминокислоты из 112 идентичны, или гомология идентичности составляет около 56 %.

Предметом настоящего изобретения является протеин, секретируемый Т-лимфоцитами и индуцируемый в них 2-миристат-3-ацетатом форболом, причем индукция цитокина (см. вышеупомянутый текст) осуществляется под действием фитогемагглютинина или моноклонального анти-CD28-антитела, причем терминирующее действие на амплификацию оказывает стимулирование фитогемагглютинином в присутствии циклоспорина А. Протеин, согласно изобретению, называемый протеином NC30, следовательно, представляет собой новый человеческий лимфокин, обладающий иммуномодуляторными активностями цитокинового типа (пролиферация клеток, активация клеток, хемотаксис и регуляция синтеза других цитокинов). Он воздействует, по крайней мере, на два вида ключевых клеток иммунной системы: моноциты и В-лимфоциты. Следовательно, речь идет о новом интерлейкине. Некоторые из его свойств являются общими с интерлейкином-4: ингибирование синтеза интерлейкина-1 $\beta$  и интерлейкина-6 моноцитами периферической крови, активированными ЛПС (липпополисахарид), и модуляция экспрессии антигена CD23 в В-лимфоцитах миндалин. Эти два свойства также присущи интерлейкину-4 (W. Paul, 1991, Blood, 77, 1959; и Waal Malefyt и др., 1991, J. Exp. Med., 174, 1199-1220).

Протеин, согласно изобретению, является новым интерлейкином лимфокинового типа. Он представляет интерес в качестве активного начала лекарственного средства, пригодного для обработки путем иммуномодуляции опухолей и лечения некоторых инфекционных или воспалительных заболеваний.

Протеин, согласно изобретению, может включать, непосредственно выше последовательности ( $a_1$ ), одну или несколько аминокислот, в особенности последовательность: Ser-Pro.

Этот протеин предпочтительно находится в форме, которая имеет кажущуюся молекулярную массу, определяемую путем электрофореза на поликариламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия (SDS),  $9.0 \pm 2$  или  $16.0 \pm 2$  kDa. Он предпочтительно N-гликозилирован, в особенности, когда он имеет кажущуюся молекулярную массу  $16.0+2$  kDa.

Представляет интерес то, что этот протеин имеет степень чистоты, определяемую путем электрофореза на поликариламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия и проявления серебром, выше 70 %, и предпочтительно выше 90 %.

Предметом изобретения также является рекомбинантная ДНК, которая кодирует вышеуказанный протеин, полученный из клеточного лизата, или, предпочтительно, кодирует предшественник вышеуказанного протеина. Этот предшественник предпочтительно включает сигнальную последовательность.

Функцией этой сигнальной последовательности, выбираемой в зависимости от клетки-хозяина, является стимулирование экскреции рекомбинантного протеина из цитоплазмы, что позволяет рекомбинантному протеину принимать конформацию, близкую к таковой природного протеина, и заметно облегчает его очистку. Эта сигнальная последовательность может быть гидролизована либо в несколько стадий с помощью сигнальной пептидазы, которая высвобождает зрелый протеин, либо в несколько стадий, когда эта сигнальная последовательность включает, кроме последовательности, удаляемой с помощью сигнальной пептидазы, называемой сигнальным пептидом или предпоследовательностью, последовательность, удаляемую позднее в процессе одного или нескольких протеолитических событий, называемую про-последовательностью.

Кодирующей зрелый протеин последовательностью является, например, одна из следующих ( $Na_1$ ) или ( $Na'_1$ ) последовательностей:

(Na<sub>1</sub>)

GGCCCTGTGC	CTCCCTCTAC	AGCCCTCAGG	GAGCTCATTG
AGGAGCTGGT	CAACATCACC	CAGAACCAAGA	AGGCTCCGCT
CTGCAATGGC	AGCATGGTAT	GGAGCATCAA	CCTGACAGCT
GACATGTACT	GTGCAGCCCT	GGAATCCCTG	ATCAACGTGT
CAGGCTGCAG	TGCCATCGAG	AAGACCCAGA	GGATGCTGAG
CGGATTCTGC	CCGCACAAGG	TCTCAGCTGG	GCAGTTTCC
AGCTTGCATG	TCCGAGACAC	CAAATCGAG	GTGGCCCAGT
TTGTAAAGGA	CCTGCTCTTA	CATTAAAGA	AACTTTTCG
CGAGGGACGG	TTCAAC		

(Na'<sub>1</sub>)

GGCCCTGTGC	CTCCCTCTAC	AGCCCTCAGG	GAGCTCATTG
AGGAGCTGGT	CAACATCACC	CAGAACCAAGA	AGGCTCCGCT
CTGCAATGGC	AGCATGGTAT	GGAGCATCAA	CCTGACAGCT
GGCATGTACT	GTGCAGCCCT	GGAATCCCTG	ATCAACGTGT
CAGGCTGCAG	TGCCATCGAG	AAGACCCAGA	GGATGCTGAG
CGGATTCTGC	CCGCACAAGG	TCTCAGCTGG	GCAGTTTCC
AGCTTGCATG	TCCGAGACAC	CAAATCGAG	GTGGCCCAGT
TTGTAAAGGA	CCTGCTCTTA	CATTAAAGA	AACTTTTCG
CGAGGGACGG	TTCAAC		

Для экспрессии в прокариотах, таких как, например, *Escherichia coli* эта сигнальная последовательность может представлять собой либо последовательность, являющуюся производной последовательности, кодирующей природный предшественник протеина, экспортируемого прокариотом (например, сигнальный пептид OmPA (Ghrayeb и др., 1984, EMBO Journal, 3, 2437-2442) или сигнальный пептид щелочной фосфатазы (Michaelis и др. J. Bact. 1983, 154, 366-374) либо неэндогенную последовательность, происходящую от последовательности, кодирующей эукариотический предшественник (например, сигнальный пептид одного из природных предшественников гормона человеческого роста), либо последовательность, кодирующую сигнальный синтетический пептид (например, описанный в заявке на патент FR №2636643), с последовательностью:

Met Ala Pro Ser Gly Lys Ser Thr Leu Leu Leu Leu Phe Leu Leu Leu			
1	5	10	15
Cys Leu Pro Ser Trp Asn Ala Gly Ala			
20	25		

Для экспрессии в эукариотических клетках, таких как аскомицеты, например, дрожжи *Saccharomyces cerevisiae* или филаментозный гриб *Cryphonectria parasitica*, эта сигнальная последовательность предпочтительно является последовательностью, происходящей от последовательности, кодирующей природный предшественник секретируемого этими клетками протеина, например, в случае дрожжей – предшественник инвертазы (EP на патент 0123289) или предшественник пре-про-последовательности альфа-феромона (заявка на патент DK 2484/84), или в случае *Cryphonectria parasitica* предшественник пре-про-последовательности эндотиапепсина, с последовательностью:

Met Ser Ser Pro Leu Lys Asn Ala Leu Val Thr Ala Met Leu Ala Gly			
1	5	10	15
Gly Ala Leu Ser Ser Pro Thr Lys Gln His Val Gly Ile Pro Val Asn			
20	25	30	
Ala Ser Pro Glu Val Gly Pro Gly Lys Tyr Ser Phe Lys Gln Val Arg			
35	40	45	
Asn Pro Asn Tyr Lys Phe Asn Gly Pro Leu Ser Val Lys Lys Thr Tyr			
50	55	60	

Leu Lys Tyr Gly Val Pro Ile Pro Ala Trp Leu Glu Asp Ala Val Gln  
 65                    70                    75                    80  
 Asn Ser Thr Ser Gly Leu Ala Glu Arg  
 85

Для экспрессии в клетках животных, в качестве сигнальной последовательности используют либо сигнальную последовательность в отношении экспортации из животных клеток протеина, например, последовательность, кодирующую сигнальный пептид одного из природных предшественников человеческого гормона роста, уже известную с точки зрения возможности секреции интерлейкина-2 (см. заявку на патент FR 2 619 711), либо одну из следующих четырех последовательностей (b1), (b2), (b3) и (b4):

(b1)

Met His Pro Leu Leu Asn Pro Leu Leu Ala Leu Gly Leu Met Ala  
 1                    5                    10                    15  
 Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly Phe Ala  
 20                    25                    30

(b2)

Met His Pro Leu Leu Asn Pro Leu Leu Ala Leu Gly Leu Met Ala  
 1                    5                    10                    15  
 Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly Phe Ala  
 20                    25                    30

(b3)

Met Ala Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly  
 1                    5                    10                    15  
 Phe Ala

Ser Pro

(b4)

Met Ala Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly  
 1                    5                    10                    15  
 Phe Ala Ser Pro  
 20

предпочтительно кодированных соответственно следующими последовательностями (Nb1), (Nb2), (Nb3) и Nb4):

(Nb1)

ATGCATCCGC TCCTCAATCC TCTCCTGTTG GCACTGGGCC  
 TCATGGCGCT TTTGTTGACC ACGGTCATTG CTCTCACTTG  
 CCTTGGCGGC TTTGCC

(Nb2)

ATGCATCCGC TCCTCAATCC TCTCCTGTTG GCACTGGGCC  
 TCATGGCGCT TTTGTTGACC ACGGTCATTG CTCTCACTTG  
 CCTTGGCGGC TTTGCCTCCC CA

(Nb3)

ATGGCGCTTT TGTTGACCAC GGTCAATTGCT CTCACTTGCC  
 TTGGCGGCTT TGCC

(Nb4)

ATGGCGCTTT TGTTGACCAC GGTCAATTGCT CTCACTTGCC  
 TTGGCGGCTT TGCCCTCCCCA

Изобретение относится также к вектору экспрессии, включающий вышеуказанную рекомбинантную ДНК.

Экспрессии прокариотов, в особенности в *Escherichia coli*, осуществляется путем включения рекомбинантной ДНК в вектор экспрессии, содержащий эффективный промотор, следующий за сайтом фиксации рибосом выше экспрессируемого гена так же, как эффективную в отношении терминации транскрипции последовательность ниже экспрессируемого гена. Эта плазмида также должна включать источник репликации и маркер селекции. Все эти последовательности должны выбираться в зависимости от клетки-хозяина.

Для экспрессии в эукариотических клетках, экспрессирующий вектор, согласно изобретению, включает вышеуказанную рекомбинантную ДНК со средствами, необходимыми для ее экспрессии, ее репликации в этих клетках и селекции трансформированных клеток. Предпочтительно, этот вектор включает маркер селекции, выбираемый, например, для комплементации мутации эукариотических рецепторных клеток, который позволяет осуществлять селекцию клеток, которые интегрированы рекомбинантной ДНК, в виде повышенного числа копий, либо в их геноме, либо в мультикопийном векторе.

Для экспрессии в эукариотических клетках, таких как дрожжи, например, *Saccharomyces cerevisiae*, следует встраивать рекомбинантную ДНК между, с одной стороны, промотором и, с другой стороны, терминатором транскрипции. Совокупность промотор-кодирующая последовательность-терми-натор, называемую кассетой экспрессии, клонируют либо в монокопийном или поликопийном плазмидном векторе, либо в виде мультикопии интегрируют в геном дрожжей.

Для экспрессии в эукариотических клетках, таких как клетки филаментозных грибов, группы аскомицетов, например, таковых родов *Aspergillus*, *Neurospora*, *Podospora*, *Trichoderma* или *Cyphomycetidae*, экспрессирующий вектор, согласно изобретению, включает вышеуказанную рекомбинантную ДНК со средствами, необходимыми для его экспрессии, и возможно маркер селекции и/или телеметрические последовательности. В самом деле, можно селекционировать трансформанты, интегрированные целевой ДНК, с помощью маркера селекции, находящегося либо в том же векторе, что и целевая ДНК, либо в другом векторе, причем тогда эти два вектора вводятся путем котрансформации. Рекомбинантная ДНК, согласно изобретению, может быть либо интегрирована в геном филаментозных грибов, либо сохранена во внекромосомной форме благодаря последовательностям, допускающим репликацию и расщепление этой ДНК.

Для экспрессии в клетках животных, особенно в клетках яичников китайского хомячка СНО, рекомбинантную ДНК предпочтительно встраивать в плазмиду (например, происходящую от pBR322), включающую либо одну единицу экспрессии, в которую встроена рекомбинантная ДНК, согласно изобретению, и возможно маркер селекции, перед эффективным промотором, либо две единицы экспрессии. Первая единица экспрессии включает вышеуказанную рекомбинантную ДНК, предшествующую эффективному промотору (например, ранний промотор SV40). Инициирующую последовательность около ATG (антитимоцитарный глобулин) предпочтительно выбирают в зависимости от обобщающей типичной последовательности, описанной Kozak (M. Kozak (1978), Cell, 15, 1109-1123). Инtronовая последовательность, например, инtron α-глобулина мыши, может быть включена выше рекомбинантной ДНК так же, как последовательность, включающая сайт полиаденилирования, например, последовательность полиаденилирования SV40•может быть включена ниже рекомбинантного гена. Вторая единица экспрессии включает маркер селекции, например, последовательность ДНК, кодирующую дигидрофолатредуктазу (фермент, ниже сокращенно называемый ДГФР). Плазмиду трансфектируют в клетки животных, например, клетки СНО dhfr<sup>-</sup> (неспособные экспрессировать ДГФР). Линию (клеток) селекционируют по ее резистентности к метотрексину: интегрируют в ее геном повышенное число копий рекомбинантной ДНК и экспрессируют эту последнюю на достаточном уровне.

Изобретение также относится к прокариотным микроорганизмам, трансформированным вышеуказанным вектором экспрессии, в особенности такого вида *Escherichia coli* так же, как к эукариотическим клеткам, которые содержат вышеуказанную рекомбинантную ДНК. Ее можно вводить путем трансформации за счет вышеуказанного экспрессирующего вектора или в виде самой по себе рекомбинантной ДНК, согласно изобретению, которая иногда может быть интегрирована прямо в геном в локусе, который допускает ее экспрессию.

Представляющие интерес эукариотические клетки являются клетками животных.

Рекомбинантную ДНК, например, можно вводить в эти клетки путем трансфекции за счет вышеуказанного экспрессирующего вектора, путем инфекции с помощью вируса или ретровируса, содержащего ее, или путем микропинъецирования. Предпочтительными животными клетками являются клетки СНО, в особенности клетки СНО dhfr<sup>-</sup>, из которых можно получать высо-

копродуцирующий протеин, согласно изобретению, линии. Клетки COS также представляют собой предпочтительного хозяина для получения этого протеина.

Другими, представляющими интерес, эукариотическими клетками являются дрожжевые клетки, в особенности клетки *Saccharomyces cerevisiae*.

Изобретение также относится к способу получения вышеуказанного протеина, который включает стадию культивирования вышеуказанных животных клеток или клеток дрожжей, с последующими стадиями выделения и очистки рекомбинантного протеина.

Изобретение также относится к рекомбинантному протеину, который может быть получен способом, включающим стадию культивирования этих животных клеток или клеток дрожжей, с последующими стадиями выделения и очистки рекомбинантного протеина.

Следовательно, предметом изобретения также является лекарственное средство, используемое особенно в онкологии и при лечении иммуномодуляцией некоторых инфекционных состояний и некоторых воспалительных состояний, которое содержит в качестве активного ингредиента вышеуказанный протеин в фармацевтическом приемлемом эксципиенте. Они могут быть использованы индивидуально или в сочетании с другими активными агентами, например, с одним или несколькими цитокинами.

Изобретение подробнее поясняется в нижеприводимом описании, представляемом в виде разделов, которое включает экспериментальные результаты и их обсуждение.

Некоторые из этих разделов относятся к экспериментам, осуществляемым с целью реализации изобретения, другие примеры реализации изобретения даются, разумеется, чисто в иллюстративном плане.

Большая часть совокупности описанных в этих разделах приемов (методов), хорошо известных специалисту, подробно описана в работе Sambrook, Fritsch Maniatis: "Molecular cloning: a Laboratory manual", опубликованной в 1989 г. издателями Cold Spring Harbor Press в Нью-Йорке (2-е издание).

Нижеследующее описание для лучшего понимания сопровождается рисунками 1а, 1б, 1в, 2, 3, 4, 5, 6 и 7.

На фиг. 1а представлена общая генетическая карта плазиды pSE1, являющейся плазмидой клонирования в *E. coli* и экспрессии в клетках животных, причем сайты, исчезающие за счет лигирования, указаны в скобках. Используемые на этом рисунке символы уточняются в описании этой плазиды (раздел 2).

На фиг. 1б представлена последовательность синтетического фрагмента "сайт связывания – HindIII" – HindIII, используемого для конструирования плазиды pSE1.

На фиг. 1в представлена последовательность синтетического фрагмента HindIII- – "сайт связывания BamHI".

На фиг. 2 представлена нуклеотидная последовательность кДНК NC30 и напротив – выведенная аминокислотная последовательность, где подчеркнуты два Met, способные инициировать трансляцию, причем возможные места расщепления сигнального пептида указываются вертикальными стрелками, а четыре возможных области N-гликозилирования подчеркнуты пунктирной линией.

На фиг. 3 и 4 представлены соответственно согласование по максимальной гомологии согласно методу Needleman и Wunsch, 1970, J. Mol. Biol., 48, 443-453 аминокислотной последовательности, выведенной из кДНК NC30 (верхний ряд) и последовательности, выведенной из кДНК протеина P600 мыши (нижний ряд), и согласование согласно этому методу кодирующей части кДНК NC30 (верхний ряд) и кодирующей части кДНК протеина P600 (нижний ряд).

На фиг. 5 представлена последовательность фрагмента В, причем область молчащей мутации по отношению к кДНК NC30 указывается звездочкой.

На фиг. 6 и 7 представлены изменения оптической плотности и/или плотности клеток линии B9 в зависимости от концентрации очищенного протеина NC30, продуцированного из супернатанта клеток COS (фиг. 6), и происходящего от дрожжей (фиг. 7).

Раздел 1:

Культивирование и стимулирование с помощью РМА и РНА-Р мононуклеарных клеток периферической крови. Получение информационной РНК, используемой для создания банка комплементарной ДНК:

1) Культивирование и стимулирование мононуклеарных клеток периферической крови.

Из аликовот периферической крови (отобранный у трех здоровых доноров в центре переливания крови), предварительно подвергнутой цитофорезу и градиенту Фиколла (Pharmacia, Воум А., 1968, Scand. J. Clin. Lab. Invest., 21, с. 77-89), отбирают фракцию клеток, обогащенную мононуклеарными клетками периферической крови РВМNC (мононуклеарные клетки периферической крови) следующего приблизительного состава: 70% лимфоцитов, 25% моноцитов и 5% гранулоцитов (подсчет клеток проводится с помощью счетчика клеток Coulter, модель S-Plus IV).

Клетки помещают в колбу емкостью 250 мл, затем центрифицируют в течение 10 минут при 37°C при 300 g. Супернатант удаляют и осадок клеток промывают 50 мл среды, включающей глюкозу, минеральные соли, аминокислоты и витамины, называемой средой RPMI (среда, RPMI 1640, фирмы Гибко BRL), затем снова центрифицируют в тех же условиях.

Осадок клеток затем обрабатывают с помощью 500 мл среды RPMI, дополненной 10% плодной телячьей сыворотки (Гибко BRL – стандартное обозначение: 013-0629OH), с добавленными 10 единицами пенициллина и 10 мкг стрептомицина (раствор пенициллина со стрептомицином, фирма Гибко, стандартное обозначение: 043-05140) на 1 мл среды так же, как L-глутамином (Гибко BRL – стандартное обозначение: 043-05030) вплоть до конечной концентрации 2 ммоль.

Одну часть суспензии клеток распределяют, с целью разделения адгезивных клеток и неадгезивных клеток, примерно по 100 мл на чашку (камеру), в четыре большие квадратные чашки для культивирования (размером 245x245x20 мм; N и ПС; стандартное обозначение: 166508) и инкубируют в течение 1 часа при 37°C. Известно, что большинство моноцитарных клеток прилипают к чашке для культивирования, тогда как большинство лимфоцитарных клеток остаются в суспензии.

Неадгезивные клетки отбирают с помощью пипетки и культивируют в колбах для культивирования типа Falcon с поверхностью 175 см<sup>2</sup> в присутствии среды RPMI, дополненной как описано выше, к которой добавлено 10 нг/мл 2-миристат-3-ацетат-форбола (РМА) (Сигма, стандартное обозначение: P8139) и 5 мкг/мл фитогемагглютинина (РНА-Р) (Сигма, стандартное обозначение: 1.8754), при 37°C в присутствии 5 % CO<sub>2</sub> в течение 24 часов.

К адгезивным клеткам снова добавляют 100 мл среды RPMI, дополненной как описано выше, дополнительно включающей 10 нг/мл РМА и 5 мкг/мл РНА-Р. Клетки инкубируют при 37°C в присутствии 5 % (по объему) CO<sub>2</sub> в течение 5 часов.

Остаток суспензии клеток, называемый ниже полными (целыми) клетками, распределяют в четыре большие квадратные чашки для культивирования и инкубируют в присутствии среды RPMI, дополненной как описано выше, к которой добавлено 10 нг/мл РМА и 5 мкг/мл РНА-Р, при 37°C в присутствии 5 % (по объему) CO<sub>2</sub> в течение 5 часов для первых двух чашек и 24 часов для двух других чашек.

Примерно за 2 часа до окончания инкубации, в культуральную среду этих различных клеток добавляют 10 мкг/мл циклогексимида (Сигма, стандартное обозначение C6255) (ингибитор трансляции, который повышает стабильность РНК цитокинов: см. Lindsten и др., 1989, Science, 244, 339-344) и инкубацию продолжают в течение 2 часов при 37°C.

## 2) Получение информационной (матричной) РНК:

### а) Извлечение информационной РНК:

Клетки рекуперируют следующим образом:

– Адгезивные (прилипшие) клетки промывают 2 раза буфером ЗФР (забуференный фосфатом физиологический раствор, стандартное обозначение 041040040 — Гибко BRL), затем соскребают с помощью скребка из каучука и центрифицируют. Таким образом, получают осадок клеток, называемый осадок А.

– Для неадгезивных клеток, после перемешивания в колбе, содержащей суспензию клеток, суспензию клеток отбирают и центрифицируют. Таким образом, получают осадок клеток, называемых осадком клеток НА;

– Для полных клеток, адгезивную фракцию промывают 2 раза буфером ЗФР и соскребают, как описано выше, затем центрифицируют. Неадгезивную фракцию центрифицируют. Два полученных осадка клеток впоследствии объединяют. Их объединение называют осадком клеток Т (5 часов) для полных клеток, инкубированных в течение 5 часов, и Т (24 часа) для полных клеток, инкубированных в течение 24 часов.

Осадки клеток А, НА, Т (5 часов) и Т (24 часа) замораживают и хранят при -80°C.

Каждый замороженный осадок клеток суспенсируют в лизисном буфере следующего состава: 5 моль тиоцианата гуанидина, 50 ммоль три-(гидроксиметил)аминометана, pH = 7.5, 10 ммоль ЭДТК. Супензию обрабатывают ультразвуком с помощью ультразвукового дегингератора Ultra Turgax № 231256 (Janke и Kunkel) с максимальной мощностью в течение 4-х циклов по 20 секунд. Добавляют β-меркаптоэтанол до 0.2 моль и снова осуществляют цикл обработки ультразвуком в течение 30 секунд. Добавляют хлорид лития вплоть до 3 моль. Супензию охлаждают до 4°C и оставляют стоять при этой температуре в течение 48 часов. РНК затем выделяют путем центрифугирования в течение 60 минут. Осадок РНК промывают один раз с помощью 3М раствора хлорида лития, снова центрифицируют, затем обрабатывают буфером следующего состава: 1% додецилсульфата натрия, 5 ммоль ЭДТК и 10 ммоль Трис-HCl, pH = 7.5, с добавлением 1 мг/мл протеиназы K (Boehringer, Майнхайм, ГмбХ). После инкубации при 40°C в течение 1 часа, раствор РНК экстрагируют с помощью смеси фенола с хлороформом. При -20°C содержащуюся в водной фазе РНК осаждают с помощью 0.3 М раствора ацетат аммония и 2.5 объемов этанола. Центрифицируют при 15 000 g в течение 30 минут и осадок хранят.

#### б) Очистка фракции поли A<sup>+</sup> РНК

Осадок обрабатывают с помощью 1 мл буфера состава Трис-HCl, 10 ммоль, pH=7.5 и ЭДТК, 1 ммоль, называемого буфер TE, и суспенсируют путем перемешивания с помощью вихревой мешалки. Олиго-dT-целлюлозу типа 3 (выпускаемая в продажу Collaborative Research. Inc., Biomedicals Product Division) готовят согласно рекомендациям изготовителя. РНК помещают на олиго-dT-целлюлозу, осторожно перемешивают для суспенсирования шариков, затем нагревают в течение 1 минуты при 60°C.

Супензию дополняют с помощью 0.5 моль NaCl, затем осторожно перемешивают в течение 10 минут. После этого супензию центрифицируют в течение 1 минуты при 1000 g, супернатант удаляют, осадок промывают 2 раза по 1 мл буфера TE, содержащего 0.5 моль NaCl. Супернатанты удаляют. Элюирования полиаденинированной фракции РНК (состоящей из информационных РНК) достигают путем суспенсирования шариков в 1 мл буфера TE, затем нагревания этой супензии при 60°C в течение 1 минуты, с последующим перемешиванием в течение 10 минут на встряхивателе. Затем центрифицируют в течение 1 минуты при 1000 g, что позволяет рекуперировать супернатант, содержащий свободные информационные РНК в растворе. Совокупность вышеуказанных операций (начиная с элюирования) повторяют 2 раза. Таким образом, полученные супернатанты объединяют, удаляют остаточные шарики путем центрифугирования и супернатант осаждают с помощью 3 объемов этанола и раствора NaCl с конечной концентрацией 0.3 моль.

Таким образом, из осадков клеток А, НА, Т (5 часов) и Т (24 часа) получают четыре образца РНК – A<sup>+</sup>, называемые далее как РНК-polyA<sup>+</sup>-A; РНК-polyA<sup>+</sup>-NA; РНК polyA<sup>+</sup>-И (5 ч) и РНК-polyA<sup>+</sup>-Т (24 ч).

#### Раздел 2

Получение банка комплементарной ДНК, обогащенного специфическими последовательностями мононуклеарных клеток периферической крови

##### 1) Конструирование клонирующего вектора pSEI:

В используемой стратегии прибегают к использованию фрагментов, получаемых из общедоступных плазмид, и фрагментов, получаемых путем синтеза по обычно используемым в настоящее время методам. Применяемые способы клонирования представляют собой такие, которые описаны Sambrook и др., в "Molecular Cloning, a Laboratory manual" (Cold Spring Harbor Laboratory, 1989). Синтез олигонуклеотидов осуществляют с помощью синтезатора РНК Biosearch 8700.

Нижеприводимое описание для лучшего понимания иллюстрируется рисунком 1а.

Эту плазмиду конструируют путем последовательных лигирований следующих элементов:

а) фрагмент PvuII-PvuII обозначаемый ++++++ на фиг. 1а, из 2525 пар оснований, получают путем переваривания плазмиды pTZ18R (Фармация) ферментом рестрикции PvuII. Этот фрагмент содержит источник репликации фага f I (обозначаемый на фиг. 1а как ORI F1), ген (обозначаемый на фиг. 1а как Amp<sup>R</sup>) обладающий резистентностью к ампициллину, и источник репликации (обозначаемый на рисунке 1а как ORI pBR322), позволяющий осуществлять репликацию этой плазмиды в E. coli. Первый свободный сайт PvuII исчезает за счет лигирования со свободным сайтом EcoRV (который также исчезает) фрагмента, описанного в п. ж);

б) фрагмент PvuII – HpaI – обозначаемый на фиг. 1а – из 1060 пар оснований ДНК аденоовируса типа 5 между положениями 11299 (сайт рестрикции PvuII) и 10239 (сайт рестрикции HpaI) (Dekker и Van Ormondt, Gene, 27, 1984, 115-120), содержащий информацию для РНК VA-1 и

VA-II. Свободный сайт HpaI исчезает за счет лигирования со свободным сайтом PvuII (который также исчезает) фрагмента, описанного в в. Сайт ApaI в положении 11218 удаляют путем расщепления с помощью фермента ApaI, обработки с помощью экзонуклеазы: ДНК-полимеразы фага T 4 и нового лигирования;

в) фрагмент PvuII – Hind III – обозначаемый ////////////// на фиг. 1а – из 344 пар оснований, происходящий от ДНК вируса SV40, получаемый путем переваривания с помощью ферментов рестрикции PvuII и Hind III. Этот фрагмент включает источник репликации и ранний промотор ДНК вируса SV 40 (B.J. Byrne и др. Proc. Natl. Acad. Sci., US (1983), 80, 721-725).

Сайт Hind III исчезает за счет лигирования с сайтом связывания Hind III, описанным в п.г.).

г) синтетический фрагмент "сайт связывания Hind III" – Hind III – обозначаемый на фиг. 1а как из 419 пар оснований, последовательность которого, представленная на фиг. 1б, содержит последовательность, близкую к непреобразованной 5' – последовательности вируса HTLV1 (R. Weiss и др. "Molecular Biology of Tumor Viruses – часть 2, 2-е издание, 1985, Cold Spring Harbor Laboratory, с. 1057), и периферический инtron гена  $\alpha$ -глобина мыши (Y. Nishioka и др., 1979, Cell, 18, 875-882);

д) синтетический фрагмент Hind III – "сайт связывания BamH1" – обозначаемый как XXXXXXXX на фиг. 1а, содержащий промотор РНК-полимеразы фага T7, так же, как полилинкер, содержащий особенно сайты клонирования Apal и Bam HI, последовательность которого представлена на рисунке 1в;

е) фрагмент BamHI – BcII из 240 пар оснований ▲▲▲ обозначаемый на фиг. 1а, маленький фрагмент, получаемый путем переваривания ферментами BcII и BamHI вируса SV40, которые содержат сайт его полиаденилирования (M. Fitzgerald и др., Cell, 24, 1981, 251-260). Сайты BamHI и BcII исчезают за счет лигирований соответственно с "сайтом связывания BamHI" фрагмента, описанного в п.д.), и сайтом BamHI (который также исчезает) фрагмента, описанного в п. ж);

ж) фрагмент BamHI – EcoRV – обозначаемый как OOOOOO на фиг. 1а – из 190 пар оснований, маленький фрагмент, происходящий от плазиды pBR322 после полного переваривания ферментами EcoRV и BamHI.

Плазмида pSE1, следовательно, включает элементы, необходимые для ее использования в качестве клонирующего вектора в *E. coli* (источник репликации в *E. coli* и ген устойчивости к ампциллину, происходящий от плазиды pTZ18R), так же, как в качестве вектора экспрессии в клетках животных (промотор, инtron, сайт полиаденилирования, источник репликации вируса SV40) и для ее копирования в виде простой нити с целью секвенирования (источник репликации фага f1).

2) Конструирование банка комплементарной ДНК, обогащенного специфическими последовательностями мононуклеарных клеток периферической крови:

Используемым способом клонирования описан Caput и др., (способ праймер-адаптер): Caput и др., Proc. Natl. Acad. Sci., US, 1986, 83, 1670-1674.

Он состоит, с одной стороны, в ферментативном гидролизе вектора pSE1 с помощью ApaI, добавления "хвоста polydC к протуберантному 3'-концу, затем в ферментативном гидролизе таким образом полученных плазид с помощью эндонуклеазы BamHI. Соответствующий вектору фрагмент очищают на колонке с сефарозой CL4B (Фармация). Следовательно, он включает "хвост" polydC на одном конце, причем другой конец является когезивным, типа BamHI.

С другой стороны, полученные в конечном итоге раздела 1 РНКpolyA<sup>+</sup> подвергают обратной транскрипции, исходя из праймера, последовательность которого следующая:  
5' < GATCCGGGCC CTTTTTTTTT TTT < 3'.

Так, кДНК содержат на своем 5' – конце последовательность GATCC, комплементарную когезивному концу BamHI.

Гибридные РНК-ДНК, получаемые путем воздействия обратной транскриптазы, подвергают щелочному гидролизу, который позволяет удалить РНК. Однонитевые кДНК затем подвергают обработке терминальной трансферазой, чтобы добавить в 3' polydC, и очищают с помощью двух циклов пропусканий через колонку с сефарозой CL4B.

Эти кДНК гибридизируют с РНК-polyA<sup>+</sup>, происходящей из клеток линии COS3 (линия клеток обезьяниных почек, экспрессирующих антиген Т вируса SV40: см. Y. Gluzman, 1981, Cell, 23, 175-182), получаемых как описано в Разделе 12).

Негибридизованные кДНК выделяют (фракция, обогащенная ДНК, комплементарной информационным специфическим РНК мононуклеарных клеток периферической крови).

Эти кДНК в однонитевой форме вставляют в вектор pSEI. Второй олигонуклеотид (адаптер), комплементарный праймеру, для генерации требует сайта BamHI на 5'-конце кДНК. После гибридизации вектора, кДНК и адаптера, рекомбинантные молекулы циркуляризируют путем воздействия лигазы фага T 4. Однонитевые участки тогда укрепляют благодаря ДНК-полимеразе фага T4. Таким образом, полученный пул плазмид служит для трансформации штамма E.coli MC 1061 (Casabandan и S. Cohen, J. Bact. (1980), 143, 971-980) путем электропорации.

#### Протокол получения банка комплементарной ДНК

##### а) Получение комплементарной ДНК

Из 5 мкг РНК-poly A<sup>+</sup>" мононуклеарных клеток периферической крови, полученных в итоге раздела 1, следующего состава:

РНК-poly A<sup>+</sup> A: 0.5 мкг; РНК-poly A<sup>+</sup> NA: 2 мкг; РНК-polyA<sup>+</sup> T (5 час.): 2 мкг; и РНК-poly A<sup>+</sup> T (24 час.): 0.5 мкг, получают комплементарную однонитевую ДНК, маркованную <sup>32</sup>P-dCTP (полученная комплементарная ДНК имеет удельную активность 3000 импульсов в мин/нг), с помощью синтетического праймера со следующей последовательностью (включающий сайт BamHI):

5' GATCCGGGCC CTTTTTTTTT TTT 3'

в объеме 100 мкл буфера состава: 50 ммоль Трис-HCl, pH = 8.3; 5 ммоль хлорида магния; 10 ммоль дитиотреитола, содержащего по 0.5 ммоль каждого из дезоксинуклеотид-трифосфатов, 100 микрокюри dCTP  $\alpha$ <sup>32</sup>P и 100 ед. RNasin (Промега). После инкубации в течение 30 минут при 46°C со 100 единицами фермента обратной транскриптазы (Genofit-El 022), добавляют 4 мл 0.5 М ЭДТК. Первый раз экстрагируют фенолом (насыщенный буфером TE), затем - во второй раз экстрагируют хлороформом. Добавляют 10 мкг транспортной РНК телячьей печени, 1/10 объема 10 М раствора ацетата аммония и 2.5 объема этанола для осаждения комплементарной ДНК. Центрифугируют, осадок после центрифугирования растворяют в 30 мкл буфера TE, затем удаляют маленькие молекулы, такие как соли, фенол и хлороформ, путем эксклюзивной хроматографии на колонке с полиакриламидом P10 (Биогель P10; 200-400 меш; стандартное обозначение: 1501050; Биорад).

##### б) Щелочной гидролиз матричной РНК

Добавляют 4.6 мкл 2 н раствора гидроксида натрия, инкубируют в течение 30 минут при 68°C, затем добавляют 4.6 мкл 2н уксусной кислоты и полученный раствор пропускают через колонку с полиакриламидом P10.

##### в) Гомополимерное присоединение dG

Удлиняют комплементарную ДНК по 3'-концу с помощью "хвоста" dG с 66 единицами концевого фермента трансферазы (Фармация; 27073001). Инкубируют в 60 мкл буфера следующего состава: 30 ммоль Трис-HCl, pH=7.6; 1 ммоль хлорида кобальта; 140 ммоль какодиловой кислоты; 0.1 ммоль дитиотреитола, 1 ммоль dGTP; в течение 30 минут при 37°C, затем добавляют 4 мкл 0.5 М ЭДТК.

##### г) Очистка на колонке с сефарозой CL4B

Для того чтобы удалить синтетический праймер, комплементарную ДНК очищают на двух последовательных колонках с 1 мл сефарозы CL4B (Фармация), уравновешенных с раствором, содержащим 30 ммоль гидроксида натрия / 2 ммоль ЭДТК.

Первые три радиоактивные фракции (около 80 мкл каждая) объединяют и осаждают с помощью 1/10 объема 10 М раствора ацетата аммония и 2.5 объема этанола. Количество комплементарной ДНК составляет 1 мкг.

##### д) Гибридизация

Осадок комплементарной ДНК супензируют в 25 мкл буфера TE, добавляют 15 мкг РНК-poly A<sup>+</sup>, извлеченной из клеток линии COS, затем 0.1 объема 3М раствора хлорида натрия, 2.5 объема этанола и оставляют осаждаться при -20°C.

Центрифугируют, промывают 70%-ным этанолом, высушивают, осадок растворяют в 5 мкл буфера следующего состава: 0.1 моль Трис-HCl, pH = 7.5; 0.3 моль хлорида натрия; 1 ммоль ЭДТК; полученный раствор помещают в капиллярную трубку, которую герметически закрывают (запаивают), затем инкубируют при 65°C в течение 40 часов.

Содержимое капилляра разбавляют с помощью 100 мкл буфера TE, к которому добавляют 300 мкл 50 мМ натрийfosфатного буфера, pH=6.8. Полученный раствор пропускают через колонку с гидроксиапатитом (Биорад; стандартное обозначение: 130.0520) при 60°C, уравновешен-

ным с этим фосфатным буфером. Выделяют простую (одинарную) нить (комплементарная негибридизованная ДНК) и двойную нить (информационная РНК COS, гибридизованная с комплементарной ДНК) с помощью градиента 0.1 М – 0.2 М фосфатного буфера при пропускании через колонку с гидроксиапатитом. Объединяют соответствующие фракции с однонитевой комплементарной ДНК (25 % мас. элюированной кДНК, что соответствует обогащению примерно в 4 раза специфическими последовательностями мононуклеарных клеток периферической крови), добавляют 20 мкг транспортной РНК, весь полный объем осаждают с помощью 0.1 объема 10 М раствора ацетата аммония и 2.5 объема этанола. Центрифицируют, осадок после центрифугирования растворяют в 200 мкл TE, остаточный фосфат удаляют на полиакриламиде P10, снова осаждают с помощью 0.1 объема 10 М раствора ацетата аммония и 2.5 объема этанола.

Осадок растворяют в 30 мкл раствора с 30 ммоль NaOH / 2 ммоль ЭДТК. Комплементарную ДНК загружают в колонку с сефарозой CL4B (Фармация) объемом 1 мл, уравновешенной с раствором, содержащим 30 ммоль NaOH/ 2 ммоль ЭДТК, чтобы удалить остаток синтетического праймера. Объединяют первые три радиоактивные фракции объемом около 80 мкл каждая. Содержащуюся в этих фракциях кДНК осаждают с помощью 0.1 объема 10 М раствора ацетата аммония и 2.5 объема этанола. Таким образом, полученное количество комплементарной ДНК составляет 20 нг.

а) Конъюгация клонирующего вектора pSE1 и комплементарной ДНК в присутствии адаптера

Центрифицируют, осадок растворяют в 33 мкл буфера TE, добавляют 5 мкл (125 нг) клонирующего вектора pSE1, 1 мкл (120 нг) адаптера со следующей последовательностью (включающий сайт Apal):

5' АААААААААААА AAAGGGCCCG 3',

10 мкл 200 мМ раствора хлорида натрия, инкубируют в течение 5 минут при 65°C, затем реакционную смесь оставляют охлаждаться до комнатной температуры.

ж) Лигирование

Клонирующий вектор и однонитевую кДНК лигируют в объеме 100 мкл с 32.5 единицами фермента ДНК-лигазы фага T4 (Фармация; стандартное обозначение: 27087002) в течение ночи при 15°C в буфере следующего состава: 50 ммоль Трис-HCl, pH=7.5; 10 ммоль хлорида магния, 1 ммоль аденоzin-5'-трифосфата.

з) Синтез второй нити кДНК

Протеины удаляют путем экстракции фенолом с последующей экстракцией хлороформом, затем добавляют 0.1 объема 10 мМ раствора ацетата аммония, потом 2.5 объема этанола. Центрифицируют, осадок растворяют в буфере следующего состава: 33 ммоль Трис-ацетата, pH=7.9; 62.5 ммоль ацетата калия, 1 ммоль ацетата магния и 1 ммоль дитиотреитола (ДТТ); вторую нить комплементарной ДНК синтезируют в объеме 30 мкл с 30 единицами фермента ДНК-полимеразы фаза T4 (Фармация; стандартное обозначение: 27-0718) и смесью по 1 ммоль четырех дезоксинуклеотидтрифосфатов dATP, dCTP, dGTP и dTTP так же, как с двумя единицами протеина гена 32 фага T4 (Фармация; стандартное обозначение: 27-0213), в течение 1 часа при 37°C. Экстрагируют фенолом и следы фенола удаляют при использовании колонки с полиакриламидом P10 (Биогель P10; 200-400 меш; стандартное обозначение: 15011050, Биорад).

и) Трансформация путем электропорации

Клетки *E. coli* MC1061 (Clontech) трансформируют при помощи вышеполученной рекомбинантной ДНК путем электропорации с помощью аппарата Biorad Gene Pulser (БИОРАД) на 2.5 киловольт в предписываемых изготовителем условиях, затем выращивают бактерии в течение 1 часа в так называемой среде LB (Sambrook, цитировано выше) следующего состава: бактотриптон, 10 г/л; дрожжевой экстракт, 5 г/л; NaCl, 10 г/л; затем в течение 6.5 часов в среде LB, к которой добавлено 100 мкг/мл ампициллина.

Определено число независимых клонов путем внесения в разбавлении 1/1000 среды для трансформации после первого часа инкубации в чашку со средой LB, к которой добавлено 1.5% (вес/объем) агара и 100 мкг/мл ампициллина, называемой впоследствии агаровой LB средой. Число независимых клонов составляет 500 000.

Раздел 3

Просеивание выделенного банка комплементарной ДНК и отбор клона NC30

1) Реализация реплик бактериальных колоний банка кДНК на найлоновом фильтре

Примерно 40 000 рекомбинантных бактерий банка кДНК распределяют по чашкам Петри (245 x 245 мм), содержащим агаровую среду LB (около 2000 колоний на чашку).

Из каждой из этих чашек осуществляют перенос колоний на нейлоновую мембрану (Hybond N-Амерсхам) путем помещения мембранны на поверхность чашки и ставят метки путем прокалывания мембранны с помощью иглы. Мембранны затем удаляют и помещают на поверхность новой чашки Петри, содержащей агаровую среду LB. Оставляют на несколько часов при 37°C, чтобы получить вырастание колоний. Из этой первой мембранны реализуют четыре реплики на новых мембранных (предварительно помещенных на агаровую среду LB для их увлажнения) путем последовательных контактов с первой мембранный. Полученные на мембранные реплики, наконец, помещают на чашки с агаровой средой LB и инкубируют в течение ночи при 30°C.

Реплики на мембранные с колониями кверху помещают на лист ватмана 3ММ, насыщенный раствором состава. 0.5 моль NaOH, 1.5 моль NaCl; на 5 минут, что позволяет лизировать бактерии и фиксировать ДНК. Реплики на мембранные затем помещают на второй лист ватмана 3ММ, насыщенный на этот раз нейтрализующим раствором состава, 1.5 M NaCl; 5 M Трис-НС1, pH=8.0; на 5 минут. Реплики на мембранные затем погружают в раствор 2 x SSC (состав раствора SSC : 0.15 M NaCl; 0.015 M цитрата натрия) и остатки бактерий частично удаляют, осторожно потирая (соскабывая) с помощью ваты для очистки.

Затем реплики (отпечатки) на мембранные обрабатывают протеиназой K (Boehringer Mannheim GmbH) в концентрации 100 мкг/мл в растворе следующего состава: 10 ммоль Трис-НС1, pH=8; 10 ммоль ЭДТК; 50 ммоль NaCl; 0.1% додецилсульфата натрия; по 20 мл на мембранные. Инкубируют в течение 30 минут при 37°C и при перемешивании. Реплики на мембранные снова погружают в раствор 2xSSC для окончательного удаления всех следов остатков бактерий. Наконец, их высушивают на фильтровальной бумаге в течение нескольких минут, затем в течение 30 минут в вакууме при +80°C. Таким образом, на каждую чашку получают 4 реплики на мембранные, называемые впоследствии реплика 1, реплика 2, реплика 3 и реплика 4.

## 2) Получение РНК, используемой для конструирования зондов кДНК:

а) Культивирование и стимулирование мононуклеарных клеток периферической крови с помощью РМА, (РМА и анти-CD28), (РМА, РНА-Р и циклоспорин А) или (РМА и РНА-Р):

Неадгезивные клетки получают, как описано выше (раздел 1.1). Их культивируют в течение 5 часов в колбах типа Falcon с поверхностью 175 см<sup>2</sup> в присутствии среды RPMI, дополненной 10% плодной телячьей сыворотки (Гибко BRL – стандартное обозначение: 013-06290H), с добавлением 10 единиц пенициллина и 10 мкг стрептомицина (раствор пенициллина/стрептомицина Гибко; стандартное обозначение: 043-05140) на 1 мл среды так же, как L-глутамина (Гибко BRL – стандартное обозначение: 043-05030) вплоть до конечной концентрации 2 ммоль. Клетки стимулируют в течение 5 часов при одном из следующих условиях стимуляции 1), 2), 3) и 4):

1) в присутствии 10 нг/мл 2-миристат-3-ацетат-форбола (РМА) (Сигма, стандартное обозначение: P8139);

2) в присутствии 10 нг/мл РМА и 1 мкг/мл моноклонального анти-CD28- антитела (Reactifs et Systemes S.A. стандартное обозначение: ACM0280NC050);

3) в присутствии 10 нг/мл РМА, 5 мкг/ мл фитогемагглютинина (РНА-Р) (сигма; стандартное обозначение: 1.8754) и 1 мкг/мл циклоспорина А (Сандоз);

4) в присутствии 10 нг/мл РМА и 5 мкг/мл РНА-Р. В самом деле, известно, что добавление анти-CD28-антитела увеличивает количество информационной РНК некоторых цитокинов, особенно 1L – 2, γ-IFN, α-TNF и GMCSF, за счет повышения стабильности их информационных РНК (Lindsten T. и др. (1989), Science, 244, 339) в Т-лимфоцитах, и что иммуносупрессор циклоспорин А ингибирует увеличение информационных РНК цитокинов, индуцируемых путем активации с помощью РМА и РНА-Р в Т-лимфоцитах (Thompson C.B. и др., Proc. Natl. Acad. Sci., US, 86, 1333-1337).

Клетки собирают в вышеуказанных условиях стимулирования и сохраняют осадки клеток, называемые, соответственно, осадок клеток 1, осадок клеток 2, осадок клеток 3 и осадок клеток 4.

## б) Получение РНК-poly A<sup>+</sup>

Из вышеуказанных осадков клеток экстрагируют РНК и фракцию poly A<sup>+</sup> очищают как описано в разделе 1-2) а) и б) Таким образом, получают четыре фракции РНК-poly A<sup>+</sup>, называемые, соответственно, фракции poly A<sup>+1</sup>, фракция poly A<sup>+2</sup>, фракция poly A<sup>+3</sup> и фракция poly A<sup>+4</sup>.

## 3) Получение радиомаркированных зондов кДНК:

Радиомаркированные (меченные радиоактивным изотопом) зонды кДНК, называемые, соответственно, зонд 1, зонд 2, зонд 3 и зонд 4, синтезируют из четырех вышеуказанных фракций РНК-polyA<sup>+</sup>, подготавливаемых как описывается ниже:

1 мкг РНК-polyA<sup>+</sup> гибридизируют с 200 нг олиго-dT<sub>12-18</sub> (Фармация) в 2-3 мкл буфера следующего состава: 50 ммоль Трис-HCl, pH=7.5 и 1 ммоль ЭДТК; путем инкубации в течение 2 минут при 65°C и охлаждения вплоть до комнатной температуры. Синтез радио-маркированной кДНК осуществляют в реакционном объеме 10 мкл буфера следующего состава: 50 ммоль Трис-HCl, pH=8.3, 5 ммоль MgCl<sub>2</sub>, 10 ммоль дитиогреитола, содержащего по 500 мкмоль каждого из трех дезоксинуклео-тидтрифосфатов dATP, dGTP и dTTP (Фармация), 10 мкмоль dCTP и 150 микрекюри  $\alpha$ -<sup>32</sup>P-dCTP (3000 кюри на ммоль; Амерсхам) и 40 единиц PNasine (ингибитор Rnase – Genofit). Реакцию осуществляют при 46°C в течение 30 минут в присутствии 10-20 единиц обратной транскриптазы (Genofit). За этим синтезом следует щелочной гидролиз РНК с помощью 0.3 М раствора NaOH в конечном объеме 20 мкл в течение 30 минут при 65°C. Нейтрализуют путем добавления 3М уксусной кислоты. Доводят объем до 50 мкл с помощью среды TE. Проводят экстракцию таким же объемом фенола с последующей второй экстракцией таким же объемом смеси хлороформа с изоамиловым спиртом в соответствующих пропорциях 24/1.  $\alpha$ -<sup>32</sup>P-dCTP, не включившийся во время синтеза нити кДНК, удаляют путем эксклюзационной хроматографии на колонке с полиакриламидом P10 (Биогель; 200-400 меш; Биорад).

Количество кДНК составляет 60-100 пг, с удельной активностью  $1 \times 10^9$  импульсов в минуту/мкг.

4) Гибридизация реплик колоний бактерий с зондами кДНК:

Реплики на мемbrane предварительно гибридизируют в течение 2 часов при 42°C в буфере следующего состава: 50 % формамида, 6 x 5 SSC, 5 x раствор Denhardt, 0.1 % додецилсульфата натрия и 100 мкг/мл ДНК подвергнутой обработке ультразвуком спермы лосося, добавляемой после денатурации в течение 10 минут при 100°C. Реплики на мемbrane гибридизируют в течение 2-х дней: реплику 1 с зондом 1, реплику 2 с зондом 2, реплику 3 с зондом 3 и реплику 4 с зондом 4, причем эти зонды используют в концентрации 4 нг/мл в вышеуказанном буфере. 5 x раствор Denhardt (см. Sumbrook, цитировано выше) имеет следующий состав: 1 г/л Ficoll (типа 400; Фармация); поливинилпирролидон, 1 г/л, и 1 г/л бычьего сывороточного альбумина (BSA).

Предварительную гибридизацию и гибридизацию осуществляют в пробирках в печи для гибридизации (NuBaid) соответственно, с 25 мл и 10 мл буфера на мемbrane.

Затем реплики на мемbrane промывают последовательно несколько раз в течение 15 минут при 20°C в буфере состава:

2 x SSC, 0.1 % додецилсульфата натрия; затем два раза в течение 15 минут в растворе 0.1 x SSC, 0.1% додецилсульфата натрия, при 55°C, после чего высушивают на ватмане 3ММ и подвергают рентгенографии на пленках Kodak XAR5.

5) Гибридизация со смесью олигонуклеотидов, соответствующих большинству известных цитокинов:

Для идентификации клонов, которые содержат комплементарные информационным РНК ДНК известных цитокинов, другую серию реплик на мемbrane, полученных как описано выше, гибридизируют со смесью, называемой смесью С, из 28 олигонуклеотидов, включающих, каждый, 20 нуклеотидов, соответствующих комплементарным ДНК следующих цитокинов:

Интерлейкин-1  $\alpha$ (Furutani Y. и др., 1985, Nucl. Ac. Res., 13, 5869-5882), Интерлейкин-1  $\beta$ (Auron P. и др., 1984, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 81, 7907-7911), Интерлейкин-2 (Degrave W. и др., 1983, EMBO J., 2, 3249-3253), Интерлейкин-3 (Yang Y.C. и др., Cell, 1986, 47, 3-10), Интерлейкин-4 (Yohoto T. и др., 1986, Proc. Ntl. Acad. Sci., 83, 5894-5898), Интерлейкин-5 (Hirano T. и др., 1986, Nature, 324, 73-75), Интерлейкин-6 (May L. и др., 1986, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 83, 8957-8961), Интерлейкин-7 (Namen A. и. др., 1988, Nature, 333, 571-573). Интерлейкин-8 (Matsushima K. и др., 1988, J. Exp. Med., 167, 1883-1893). Интерлейкин-9 (Yang Y.C. и др., 1989, Blood, 74, 1880-1884). TNF $\alpha$  (Pennica D. и др., 1984, Nature, 312, 724-729), TNF $\beta$  (Gray P. и др., 1984, Nature, 312, 721-724), GCSF (Nagata S. и др., Nature, 1986, 319, 415-418), MCSF (Kawasaki E. и др., 1985, Science, 230, 291-296), GMCSF (Wong G. и др., 1985, Science. 228, 810-815), LIF (Gough N. и др., 1988, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85, 2623-2627), Интерферон и др., 1981, Nature, 290, 20-26), Интерферон- $\beta$ 1 (Taniguchi T. и др., 1980, Gene, 10, 11-15). Интерферон- $\gamma$  (Gray P. и др., 1982, Nature, 295, 503-508), TGF $\alpha$  (Derynck R. и др., 1984, Cell, 38, 287-297), TGF $\beta$ 1 (Derynck R. и др., 1985, Nature, 316, 701-705). bFGF (Prats H. и др., 1989, Proc. Natl. Acad. Sci., 86,

1836-1840), Эритропоэтин (Jacobs K. и др., 1985, *Nature*, 313, 806-810), BCGF (Sharma S. и др., 1987, *Science*, 235, 1489-1492), MIF (Weiser W. и др., 1989, *Proc. Natl. Acad. Sci., USA*, 86, 7522-7526), MCP-1 (Yoshimura T. и др., *FEBS Lett.*, 244, 487-493), Онкостатин-М (Malik N. и др., 1989, *Mol. Cell. Biol.*, 9, 2847-2853). EDF (Murata M. и др., 1988, *Proc. Natl. Acad. Sci., USA*, 85, 2434-2438).

Эти олигонуклеотиды, полученные с помощью синтезатора ДНК Biosearch 8700, связывают с пероксидазой хрена EC 1.11.17 (Boehringer Mannheim, стандартное обозначение: 814-407) согласно следующему протоколу:

- в колонке для синтеза олигонуклеотиды вводят во взаимодействие с карбонилдиimidазолом (Aldrich – 11, 553-3) и 1,6-диаминогексаном (Aldrich – H1. 169-6), согласно методу Wachter и др., 1986, *Nucl. Ac. Res.* 14, 7985-7994;
- после удаления защитных групп оснований и расщепления носителя путем обработки аммиаком, олигонуклеотиды очищают при использовании ионообменной смолы (Qiagen. – Diagen – 500051) с обменом противоиона аммония на ион лития;
- 5' – аминоолигонуклеотиды связывают с пероксидазой хрена (Boehringer Mannheim – 814 407) согласно методу M. Urdea и др., *Nucl. Ac., Res.*, 1988, 16, 4937-4956.

Смесь олигонуклеотидов гибридизируется примерно с 10 % клонов банка.

Клоны, дающие ауторентгенографический сигнал более сильный с зондом 2, чем с зондом 1, более сильный с зондом 4, чем с зондом 1, и более сильный с зондом 4, чем с зондом 3, и не гибридизирующиеся со смесью С, частично секвенированы как описывается в разделе 4 ниже. Два из этих клонов, называемых далее клонами NC30 и NC30-бис, таким образом, сохраняются. Эти клоны содержат соответственно плазмиду, называемую pSE1-NC30, и плазмиду, называемую pSE1-NC30-бис.

#### Раздел 4:

Экспрессия информационной РНК клона NC30 в мононуклеарных клетках периферической крови

Неадгезивные клетки (образованные в основном лимфоцитами) получают, как описано в разделе 1-1) и стимулируют, как описано в разделе 3-2)-а), кроме контрольных нестимулируемых клеток (условия стимулирования О)). Информационные РНК этих клеток получают при 5 условиях стимулирования, как описано в примере 1-2)-а), и анализируют путем электрофореза на 1 %-ном агарозном геле в присутствии формальдегида (Sambrook, цитировано выше) с последующим переносом на нейлоновую мембрану (Hyband N+; Амерсхам) и гибридизацией согласно описанному выше протоколу.

Эту мембрану гибридизируют с радиомаркированным с помощью  $\alpha$ -<sup>32</sup>P-dCTP зондом, получаемым из кДНК NC30 (Амерсхам) путем частичного разреза этой последней с помощью ДНКSe 1, с последующей полимеризацией с помощью фермента ДНК-полимеразы (так называемый метод "ник-трансляции" или смещения цезуры), как описывается Sambrook и др., цитировано выше. Гибридизацию проводят при 42°C в течение 16 часов в водной среде, содержащей 50 % формамида, 1 моль NaCl, раствор 5 x Denhardt и 0.1 % додецилсульфата натрия. Мембранные промывают несколько раз при комнатной температуре раствором 2xSSC, содержащим 0.1 % додецилсульфата натрия, затем промывают два раза при 50°C в течение 15 минут с помощью раствора 0.1xSSC, содержащего 0.1% додецилсульфата натрия. Раствор 5xDenhardt имеет следующий состав: 1 г/л Ficoll (тип 400; Фармация), 1 г/л поливинилпирролидона и 1 г/л бычьего сывороточного альбумина. Раствор 1xSSC содержит 0.15 моль NaCl и 0.015 моль цитата натрия.

Для нестимулированных клеток и для клеток, стимулированных в условиях 1), 2), 3) и 4), устанавливают ауторадиографическую полосу, соответствующую РНК длиной примерно 1.4 т.п.н. (тысячи пар нуклеотидов). Экспрессия этой РНК увеличивается в присутствии PMA (полоса интенсивности, по крайней мере, в 5 раз сильнее для условия стимулирования 1), чем для условия стимулирования О)), причем это увеличение усиливается с дополнительным присутствием PHA-P или анти-CD28 (полосы интенсивности примерно в 5 раз сильнее для условий стимулирования 2) и 4), чем для условия стимулирования 1)) и не изменяется с дополнительным присутствием PHA-P и циклоспорина (полосы интенсивности подобны таковым для условий стимулирования 1) и 3)).

Также в другом эксперименте, осуществляющем с популяцией очищенных Т-лимфоцитов (до чистоты выше 95 %), устанавливают экспрессию информационной РНК NC30 после совместной стимуляции с помощью PMA и анти-CD28.

## Раздел 5

### Секвенирование и анализ последовательности кДНК клона NC30

#### 1) Секвенирование кДНК клона NC30:

##### а) Получение однонитевой ДНК:

Клон NC30 содержит вектор pSE1, который включает кДНК между сайтами Apal и BamHI, называемый впоследствии кДНК-NC30.

Вектор pSE1, который содержит источник репликации фага f1, позволяет продуцировать однонитевую ДНК путем культивирования клона NC30 в присутствии бактериофага M13K07 (Фармация; стандартное обозначение, 27-1527) следующим образом:

Клон NC30 культивируют в пробирке емкостью 15 мл при перемешивании и при 37°C в 2 мл среды 2 x YT состава: 16 г/л бактотриптона, 10 г/л дрожжевого экстракта, 5 г/л хлорида натрия (описано Sambrook и др., цитировано выше), дополненной 0.001% тиамина и 100 мкг/мл ампициллина до оптической плотности при 660 нм около 0.60.

100 мкл этой культуры инфицируют с помощью бактериофага M13K07 (Фармация; стандартное обозначение: 27-1524) с мультиплетностью инфекции порядка 10, в пробирке емкостью 15 мл. Культуру перемешивают при 37°C.

По истечении 1 часа, добавляют 2 мл среды. Культуру тогда инкубируют в течение примерно 16 часов при 37°C и при перемешивании.

1.5 мл культуры центрифугируют, в микропробирке, в течение 2 минут при 15 000 g.

1 мл супернатанта переносят в микропробирку и добавляют 250 мкл 20%-ного раствора полиэтиленгликоля с молекулярной массой 6000, содержащего 2.5 моль NaCl. Смесь инкубируют в течение 5 минут при 4°C для облегчения осаждения фага, затем центрифугируют в течение 5 минут при 15 000 g. Супернатант удаляют и осадок фага снова суспенсируют в 500 мкл буфера состава: 10 ммоль Трис-HCl, pH=8; 1 ммоль ЭДТК.

Суспензию экстрагируют один раз фенолом, насыщенным 100 ммоль Трис-HCl, pH=8, затем два раза хлороформом.

Препарат затем осаждают путем добавления 1/10 объема 3M раствора ацетата натрия, pH = 4.8 и 2.5 объема этанола. Осаждение осуществляют при -20°C в течение минимально 20 минут. ДНК отделяют путем центрифugирования в течение 10 минут при 15000 g, осадок после центрифугирования промывают 70 %-ным раствором этанола, затем снова суспенсируют в 30 мкл буфера состава: 10 ммоль Трис-HCl, 1 ммоль ЭДТК.

##### б) Секвенирование

Реакции секвенирования осуществляют с помощью набора для секвенирования United States Biochemical (стандартное обозначение: 70770), используя метод Sanger и др. Proc. Natl. Acad. Sci. US, 1977, 74, 5463-5467. Используемыми праймерами являются олигонуклеотиды из 18 нуклеотидов, комплементарных или вектору pSel в области непосредственно у 5'-конца кДНК-NC30, или последовательности кДНК-NC30.

##### 2) Анализ последовательности кДНК-NC30:

Нижеприводимое описание для лучшего понимания иллюстрируется рисунками 2, 3 и 4.

1) кДНК-NC30 включает 1282 нуклеотида и заканчивается последовательностью poly A.

2) Это число нуклеотидов согласуется с величиной, соответствующей информационной РНК (около 1.4 т.п.н.) (см раздел 4).

3) В положении 1264-1269 последовательности ААТААА, которая соответствует обобщающей типичной последовательности, описанной M. Birnstiel и др., 1985, Cell, 41, 349, имеется сигнал полиаденилирования. В положениях 855-861, 872-878, 1133-1139 и 1152-1158 находятся последовательности из 7 нуклеотидов: TATTTAT, TATTTAA, AATTTAT и TATTTAA, содержащие последовательность ATTTA, соответствующую консенсусному элементу (звену) нестабильности AUUUA, описанному G. Shaw и др., 1986, Cell, 46, 659-667. Комплементарная ДНК большинства известных цитокинов имеет последовательность, соответствующую этому консенсусному элементу нестабильности.

4) Последовательность ДНК включает открытую рамку считывания для трансляции протеина из ATG в положении 15-17 вплоть до TGA в положении 453-455, которое соответствует терминирующему трансляцию кодону. В этой рамке считывания имеются два кодона ATG в положениях 15-17 и 57-59, способные инициировать трансляцию, соответствующие преобразованным протеинам из 146 и 132 аминокислот. Из них нуклеотидное окружение ATG в положениях 57-59 представляет собой такое, которое более всего приближается к обобщающей типичной по-

следовательности, описанной Kozak M., 1978, Cell, 15, 1109-1123, для инициирования трансляции в эукариотных клетках.

5) Программное обеспечение поиска сигнального пептида, называемое ниже программное обеспечение PS, разработано заявителем по методу и сведениям, описанным Von Heijne, 1986, Nucl. Ac. Res., 14, 483-490. Это программное обеспечение (пакет программ) в этой рамке считывания предусматривает гидрофобную область, подобную сигнальному пептиду, и четыре вероятные сайта протеинового расщепления (гидролиза), в положениях 74-75 (между Thr и Thr), 86-87 (между Ala и Leu), 110-111 (между Ala и Ser) и 116-117 (между Pro и Gly). Предусматриваемый сигнальный пептид находится между одним из двух Met, способных инициировать трансляцию, и одним из этих четырех сайтов расщепления. Предусматриваемый зрелый протеин (преобразованный протеин, расщепленный по месту своего сигнального пептида) включает, следовательно, последовательность из 126, 122, 114 или 112 аминокислот.

Те же самые прогнозирования получают с помощью пакета программ (программного обеспечения) UWGCG университета в Висконсине: Devereux и др., 1984, Nucl., Ac. Res. 12, 8711-8721 – Версия: Поиск сигнального пептида по методу G. Heijne (ссылка приведена выше).

#### Сравнение с другими известными последовательностями

Уже известная пептидная последовательность, наиболее близкая к таковой последовательности из 112 аминокислот зрелого протеина, представляет собой последовательность протеина из 132 аминокислот, выведенную из кДНК протеина P 600 мыши, описанную K.D. Brown и др., 1989, J. Imm., 142, 679-687. Этот протеин экспрессируется (экспрессируется) в подклассе Т-лимфоцитов мыши: клетки Th2, активированные с помощью конканавалина А.

Сравнение этих пептидных последовательностей с помощью метода Needleman и Wunsch, 1970, J. Mol. Biol., 48, 443-453, используемого в программном обеспечении UWGCG университета в Висконсине: Devereux и др., 1984, Nucl. Ac. Res., 12, 8711-8721, версия GAP, показывает, что 63 аминокислоты из 112 идентичны, или гомология идентичности составляет около 56 %. Этот алгоритмический метод учитывает все возможные согласования и позволяет создать согласованный ряд, представленный на рисунке 3, в котором как можно больше идентичных аминокислот подбирают под пары и число пропусков в согласованных последовательностях является минимальным.

Сравнение нуклеотидных последовательностей по этому методу показывает гомологию идентичности 70 % между кодирующей последовательностью кДНК-NC30 и кДНК протеина P600 мыши (см. рисунок 4).

#### 3) Секвенирование кДНК клона NC30-бис

Секвенирование, осуществляющее как описано выше в 1), позволяет обнаружить для кДНК клона NC30-бис такую же протеиновую последовательность, как и для клона NC30, за исключением 75 преобразованной аминокислоты, которая представляет собой ASp, кодируемую GAC, для клона NC30 и Gly, кодируемую GGC, для клона NC30-бис.

#### Раздел 6

##### Анализ секреции в клетках COS протеина, кодируемого кДНК-NC30

Клетки COS представляют собой клетки обезьяньих почек, экспрессирующие антиген Т вируса SV40 (Gluzman Y. Cell, 23, 1981, 175-182). Эти клетки, которые допускают репликацию векторов, содержащих источник репликации ДНК вируса SV40 (случай вектора pSEL), представляют собой выбранных хозяев для исследования экспрессии генов в клетках животных.

1) Трансфекция клеток COS и транзисторная экспрессия протеина, кодируемого кДНК-NC30;

$5 \times 10^5$  клеток COS высеваются в чашку Петри диаметром 6 см (Corning) в 5 мл модифицированной по способу Дульбекко среде Игла, ниже называемой DMEM (Гибко; стандартное обозначение: 041-01965), которая содержит 0.6 г/л глутамина, 3.7 г/л гидрокарбоната натрия и дополнена плодной телячьей сывороткой (Гибко) в количестве 5 %. После культивирования в течение примерно 16 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода, культуральную среду удаляют путем отсасывания и клетки промывают 3 мл буфера ЗФР (забуференный фосфатом физиологический раствор; Гибко). После этого к ним добавляют следующую смесь: 1000 мкл из (DMEM + 10 % плодной телячьей сыворотки (Гибко)), 110 мкл диэтиламиноэтилдекстрагена со средней молекулярной массой 500 000 (Фармация) при концентрации 2 мг/мл, 1.1 мкл 100 мМ хлороквина (Сигма) и 6 мкг плазмидной ДНК клона NC30, полученной по способу щелочного лизиса с последующей очисткой плазмидной ДНК при использовании градиента хлорида цезия (Sambrook и др., цитировано выше). После инкубации в течение 5 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода, смесь удаляют от клеток. После этого к ним добавляют 2 мл

буфера ЗФР, содержащего 10% диметилсульфоксида (качества "для спектроскопии"; Мерк). После инкубации в течение 1 минуты при комнатной температуре, смесь удаляют и клетки промывают два раза с помощью ЗФР и инкубируют в среде DMEM, содержащей 2 % плодной телячьей сыворотки. Инкубацию продолжают в течение 40 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода.

С другой стороны, подготавливают контрольные клетки COS, осуществляя вышеописанные операции с ДНК плазмида pSEL.

## 2) Маркировка протеинов

Совокупность вышеописанных операций осуществляют с клетками COS, трансфектированными плазмидной ДНК клона NC30, и с клетками COS, которые являются контрольными.

Культуральную среду удаляют путем отсасывания и клетки промывают два раза по 3 мл буфера ЗФР. Добавляют 5 мл среды МЕМ (минимальная поддерживающая среда Игла) без метионина (Гибко; стандартное обозначение: 041-01900Н), дополненной 3 г/мл глюкозы и 4 ммоль глутамина. Инкубируют в течение 2 часов при 37°C. Культуральную среду удаляют и добавляют 2 мл такой же среды с добавкой 200 микрокюри метионина с  $^{35}\text{S}$  (стандартное обозначение: SJ1015, Амерсхам). Инкубируют в течение 6 часов при 37°C. Культуральную среду извлекают, центрифугируют ее в течение 5 минут для удаления остатков клеток и суспендированных клеток, и супернатант сохраняют.

3) Анализ радиомаркированных протеинов трансфектированных клеток COS путем электрофореза на полиакриламидном геле:

Осаждают 1 мл супернатанта трансфектированных клеток COS 9 мл ацетона при -20°C. Центрифугируют и рекуперируют осадки протеинов. Их обрабатывают в буфере состава: 0.125 М Трис-HCl, pH=6.8, 4 % додецилсульфата натрия, 20 % глицерина, и нагревают при 100°C в течение 10 минут. Аликвотную часть полученной суспензии, соответствующую радиоактивности 200000 импульсов в минуту, анализируют путем электрофореза на 15 %-ном полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия, согласно методу, описанному U. K. Laemmli, Anal. Biochem., 1977, 78, 459. Гель высушивают в вакууме. Радиомаркированные протеины обнаруживаются с помощью ауторентгенографии. На ауторентгенограмме устанавливают наличие двух лишних полос для клеток, трансфектированных с помощью плазмидной ДНК клона NC30, по сравнению с контрольными клетками: отчетливая полоса высокой интенсивности, соответствующая молекулярной массе около  $9.0 \pm \text{kDa}$ , и диффузная полоса слабой интенсивности, соответствующая кажущейся молекулярной массе  $16.0 \pm 2$  килодалтонов. Следовательно, клон NC30 кодирует секретированный протеин, называемый в дальнейшем протеином NC30. Молекулярная масса для формы протеина, согласно изобретению, соответствующая около  $9 \pm 2 \text{ kDa}$ , меньше молекулярной массы, рассчитанной для зрелого протеина из 112 аминокислот и равной 12 366 Da. Это различие вероятно вызвано электрофоретической мобильностью, неожиданной для этой формы протеина согласно изобретению.

Полоса молекулярной массы около  $16.0 \pm 2 \text{ kDa}$  может соответствовать N-гликозилированной форме протеина согласно изобретению. В самом деле, она имеет четыре возможных сайта N-гликозилирования, подчеркнутых пунктирной линией на фиг. 2 и соответствующих обобщающей типичной последовательности, описанной Donner и др., 1987, J. Cell. Biol., 105, 2665.

4) Выявление возможного N-гликозилирования протеина с молекулярной массой около  $16 \pm 2 \text{ kDa}$

Маркировку протеинов осуществляют, как описано выше в 2), но в присутствии 10 мкг/мл туникамицина (Сигма; стандартное обозначение: T 7765), агента, ингибирующего N-гликозилирование протеинов.

Анализ протеинов на полиакриламидном геле осуществляют, как описано в 3).

На ауторентгенограмме устанавливают наличие одной лишней полосы  $9 \pm 2$  килодалтонов для клеток, транс-фектированных плазмидной ДНК клона NC30, по сравнению с контрольными клетками. Эти результаты показывают, что форма рекомбинантного протеина, рассматриваемого в п. 3), которая соответствует молекулярной массе  $16 \pm 2 \text{ kDa}$ , является N-гликозилированной.

## Раздел 7

### Продуцирование протеина NC30 в клетках COS

$4.3 \times 10^7$  клеток COS высевают в цилиндрическую качалочную колбу, называемой обычно "роллер", с поверхностью  $850 \text{ cm}^2$ , в 150 мл среды DMEM, которая содержит 0.6 г/л глутамина, 3.7

г/л гидрокарбоната натрия и дополнена плодной телячьей сывороткой (Гибко) в количестве 5 %, затем буферируют диоксидом углерода.

Спустя примерно 16 часов культивирования при 37°C на качалке (скорость вращения около 0.2 оборотов в минуту), культуральную среду удаляют путем отсасывания и клетки промывают буфером ЗФР (забуференный фосфатом физиологический раствор). К ним затем добавляют смесь следующего состава: 35 мл среды DMEM + 10 % плодной телячьей сыворотки (Сигма), 4 мл диптиламиноэтилдекстрана (Фармация, средняя молекулярная масса 500 000) в концентрации 2 мг/мл, 40 мкл, 100 мМ хлороксида (Сигма) и 128 мкг плазмидной ДНК клона NC30, полученной по методу щелочного лизиса с последующей очисткой плазмидной ДНК на градиенте хлорида цезия (Sambrook и др., цитировано выше). После инкубации в течение 5 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода, смесь удаляют с клеток. После этого к ним добавляют 35 мл буфера ЗФР, содержащего 7 % диметилсульфоксида (качества "для спектроскопии", Мерк), при 4°C. После перемешивания путем вращения в течение 1 минуты 30 секунд при комнатной температуре, смесь удаляют и клетки промывают два раза с помощью ЗФР. Добавляют 150 мл среды DMEM (Сигма), содержащей 1 % плодной телячьей сыворотки (SVF), на роллер, и клетки инкубируют при 37°C в присутствии 5 % диоксида углерода (вращение со скоростью 0.2 оборота в минуту). Спустя один день после трансфекции, среду удаляют путем отсасывания, клетки промывают 2 раза с помощью ЗФР. После этого добавляют 150 мл на роллер среды DMEM (Сигма) без сыворотки и роллеры выдерживают при 37°C в присутствии 5% диоксида углерода (при вращении со скоростью 0.2 оборота в минуту) в течение 5 дней.

Сбор осуществляют на 6-й день после трансфекции. Культуральную среду центрифигируют со скоростью 7 000 оборотов в минуту в течение 10 минут; супернатант отфильтровывают через фильтр 0.2 мкм Nalgene.

#### Раздел 8

Очистка протеина NC30, продуцированного в клетках COS, и определение его аминоконцевой последовательности 1) Очистка протеина NC30

Рекомбинантный протеин с молекулярной массой около  $9 \pm 2$  кДа, из 500 мл полученного в разделе 7 супернатанта, очищают с помощью следующих стадий:

– ионообменная хроматография на колонке Sfast flow (Фармация) (15 x 100 мм), предварительно уравновешенной с 50 мМ раствором ацетата натрия, pH = 4.0, при использовании в качестве элюирующего средства 1М раствора NaCl в 50 мМ раствора ацетата натрия в качестве буфера, pH=4.0, с расходом 2 мл/мин;

– элюат концентрируют на мемbrane Centriprep 10 (Амикон) вплоть до объема около 1 мл, затем подвергают хроматографии ВЭЖХ (с обратимой фазой, на колонке C4 (Bownlee) (100 x 2.1 мм), предварительно уравновешенной с раствором, содержащим 30% ацетонитрила и 0.1% ТФК, с линейным градиентом от 30 до 70% ацетонитрила в растворе, содержащем 0.1% ТФК. Фракции, содержащие рекомбинантный протеин (определяют по электрофоретическому анализу на поликариламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия), объединяют.

2) Определение аминоконцевой последовательности протеина NC30 с кажущейся молекулярной массой  $9 \pm 2$  кДа

Полученный в п. 1) протеин подвергают электрофоретическому анализу на 16%-ном акриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия. Протеины в течение 1 часа при силе тока 0.8 мА/см<sup>2</sup> в буфере состава: 25 мМ Трис-бората, pH = 9.0 и 10% метанола, переносят на мембрану Иммобилон (Миллипор), затем проявляются с помощью Кумасси-синего.

Полосу с молекулярной массой  $9 \pm 2$  кДа вырезают и помещают в секвенатор / Applied Biosystems, модель 470 A, соединенный с анализатором фенилтиогидантоиновых производных, Applied Biosystems, модель 120 A.

Полученная аминоконцевая последовательность представляет собой следующую последовательность (tr<sub>o</sub>),

Gly	Pro	Val	Pro	Pro	Ser	Thr	Ala	Leu	Arg
1					5				10
Glu Leu Ile Glu Glu Leu,									
15									

которая соответствует четвертому сайту расщепления, предусматриваемому программным обеспечением PS (см. раздел 5-2).

#### Раздел 9

Конструирование вектора экспрессии кДНК NC30 в дрожжах, плазмида pEMR673, и трансформация штамма дрожжей с помощью этой плазиды:

### 1) Конструирование плазиды pEMR 673

Плазиду pEMR583 (описывается в ЕР – 435776) подвергают ферментативному расщеплению с помощью ферментов HindIII и BamHI. Очистке подвергают большой фрагмент (называемый далее фрагментом А), включающий источник репликации и локус STB в 2 микрона, ген LEU2d, ген резистентности к ампициллину, источник pBR322, терминатор гена PGK, ген URA3 искусственный промотор и начало pre'pro – области альфа-феромона.

Фрагмент HindIII – BamHI (называемый ниже как фрагмент В), включающий конец pre'pro-области альфа-феромона и кДНК, кодирующую зрелый протеин, фланкированный сайтом рестрикции BamHI у 3'-конца, получают путем амплификации по методу полимеразно-цепьевой реакции (ПЦР) из плазиды pSE1 – NC30. Последовательность этого фрагмента представлена на фиг. 5. Фрагменты А и В лигируют для получения плазиды pEMR673.

#### а) Описание метода полимеразно-цепьевой реакции (ПЦР)

Метод ПЦР представляет собой хорошо известный специалисту метод, который позволяет копировать одновременно две нити последовательности предварительно денатурированной ДНК, используя два олигонуклеотида в качестве праймеров (см. особенно работу H.A. Erlich: "PCR Technology – Principles and Applications for DNA amplification" опубликованную в 1989 г. издателями Macmillan Publishers Ltd, Royaume-Uni, и работу M.A. Innis и др. "PCR Protocols" опубликованную в 1990 г. Academic Press. Inc., Сан-Диего, Калифорния, 92101, US). Принцип этого метода вкратце излагается ниже.

Метод ПЦР основан на повторении в три этапа, позволяющем получить, после 10 – 30 циклов, сотни тысяч копий первоначальной матрицы с помощью ДНК-полимеразы *Thermus aquaticus*, обычно называемой Таq полимеразой.

Эти три этапа представляют собой следующие:

#### Денатурация матрицы

Двунитевую ДНК денатурируют до однонитевой ДНК путем инкубирования при высокой температуре (92-96°C) в течение примерно 2-х минут.

#### Гибридизация праймеров

Эти праймеры представляют собой пару синтетических олигонуклеотидов, которые гибридизируются с концами амплифицируемой области. Два праймера гибридизируются с противоположными нитями. Праймеры добавляют в избытке так, чтобы благоприятствовать образованию комплекса праймер-матрица.

#### Удлинение (инсерция) праймеров

Этап, в процессе которого Таq – полимераза обеспечивает удлинение комплекса праймер-матрица от 5'-конца к 3'-концу, осуществляют при 72°C.

В методе ПЦР целевой продукт появляется в третьем цикле и тогда он в значительной степени амплифицирован. В процессе раскрытия циклов, продукт амплификации быстро становится матрицей, с которой гибридизируются праймеры.

#### б) Описание используемых праймеров

Получают два синтетических олигонуклеотида. Первый олигонуклеотид, называемый праймером 1, последовательность которого следующая:

CAGTGAATTC A AGC TTG GAT AAA AGA	TCC CCA GGC CCT GTG CCT CC
Ser Leu Asp Lys Arg	Ser Pro Gly Pro Val Pro
Область 1	Область 2

имеет две различные области: область 1, которая содержит конец pre'pro – области альфа-феромона, модифицированной по сравнению с природной последовательностью, описанной Kurjan и др., 1982, Cell, 30, 933-943, путем молчащей мутации, которая позволяет вводить сайт расщепления HindIII точно перед кодирующей частью области 1 (одиннадцатый нуклеотид области 1); и область 2, которая является областью, предназначеннной для гибридизации с кодирующей областью, соответствующей началу зрелого протеина из 114 аминокислот (см. раздел 5), некодирующей нити кДНК NC30.

Второй олигонуклеотид, называемый праймером 2, последовательность которого является следующей:

CGACGGATCC	CAAATAATGA TGCTTCGAA G
область 1	область 2

также состоит из двух различных областей: область 1, которая в четвертом нуклеотиде содержит сайт BamHI, и область 2, которая включает нуклеотидную последовательность, соответствующую непреобразованной 3' – области кДНК NC30. Эта область предназначена для гибридизации с кодирующей нитью кДНК NC30.

в) Получение амплифицированного фрагмента HindIII – BamHI, представляющего собой конец pre'го-области  $\alpha$ -феромона и кДНК, кодирующую зрелый протеин NC30.

В качестве матрицы используют плазмиду pSE1 – NC30, которая включает кДНК, кодирующую протеин NC30.

В пробирку вносят 100 нг плазмиды pSE1 – NC30, 100 нг праймера 1, 100 нг праймера 2.5 мкл концентрированной в 10 раз реакционной смеси (конечная концентрация: 67 ммол Трис-HCl, pH=8.8; 1.6 ммол сульфата аммония; 1 ммол  $\beta$ -меркаптоэтанола; 6.7 ммол ЭДТК; 0.15% Тритон x 100; 2 ммол хлорида магния; 0.2 ммол dNTR; 200 нг желатины); объем смеси затем доводят до 50 мкл путем добавления воды. Добавляют 0.5 мкл, или 2.5 единицы, полимеразы Таq (Boehringer Mannheim, стандартное обозначение: 1146-173). После этого смесь покрывают парафином, чтобы избежать испарения водного раствора.

Амплификацию проводят в течение 15 реакционных циклов, со следующими стадиями одного цикла:

- 1 минута при 94°C – денатурация;
- 1 минута при 55°C - гибридизация;
- 1 минута при 72°C – полимеризация.

После 15 циклов ферментативную реакцию прекращают путем добавления 20 ммол ЭДТК.

Таким образом, амплифицированный фрагмент ДНК, который имеет ожидаемую величину примерно из 380 пар оснований, затем очищают на 1 %-ном агарозном геле, подвергают диализу с хроматографированием на колонке из полиакриламидного геля P10 (Фармация), затем полностью и одновременно гидролизуют с помощью ферментов HindIII и BamHI, согласно обычным, хорошо известным специалисту способам (Sambrook, 1983), чтобы получить когезивные концы HindIII и BamHI. После гидролиза фрагмент очищают на колонке P10.

Последовательность полученного фрагмента В представлена на рисунке 5. Она включает в своей, кодирующей протеин NC30, части молчащую по отношению к кДНК NC30 мутацию, указанную с помощью звездочки на рисунке 5.

Фрагменты А и В лигируют с целью получения плазмиды pEMR673.

2) Трансформация штамма дрожжей EMY761 с помощью плазмиды pEMR673 и экспрессия протеина NC30 трансформированным штаммом

Штамм EMY ( $\alpha$ -Mat, leu2, ura3 his3), описанный в EP-0408461 и который может быть получен путем удаления плазмиды из штамма, депонированного в Национальной коллекции культур микроорганизмов 27 декабря 1989 г. под номером 1 – 1021, содержит мутации (leu2 и ura3), которые могут быть комплементированы маркером дефективной (неполной) селекции LEU2d и маркером селекции URA3, присутствующими в плазмиде pEMR673. Штамм трансформируют с помощью плазмиды pEMR673 при селекции для прототрофии лейцина согласно варианту способа трансформации, описанного Beggs и др. (Beggs и др., 1978, Nature, 275, 104-109), который заключается в том, что дрожжи подвергают протопластилизирующей обработке в присутствии осмотического стабилизатора, сорбитола, в концентрации 1 моль.

Краткое изложение протокола трансформации приводится ниже:

а) 200 мл жидкой среды YPG (см. таблицу 1 ниже) инокулируют с помощью примерно 5 x 10<sup>6</sup> клеток культуры в стационарной фазе и таким образом инокулированную культуру оставляют на ночь при перемешивании при 30°C;

б) когда культура достигает примерно 10<sup>7</sup> клеток на мл, то клетки центрифугируют в течение 5 минут со скоростью 4000 оборотов в минуту и осадок после центрифугирования промывают 1M раствором сорбитола;

в) клетки сусpendingируют в 5 мл 1M раствора сорбитола, содержащего 25 ммол ЭДТК и 50 ммол дитиотреитола, и инкубируют в течение 10 минут при 30°C;

г) клетки промывают один раз с помощью 10 мл 1M раствора сорбитола и сусpendingируют в 20 мл раствора сорбитола.Добавляют зимолазу-100 T (препарат, выпускаемый в продажу фирмой Seykagaku Kogyo Co. Ltd., который получают путем частичной очистки на аффинной колонке супернатанта культуры *Athrobacter luteus* и который содержит  $\beta$ -1,3-глюканаза-ламинарипента-

гидролазу) в конечной концентрации 20 мкл/мл и суспензию инкубируют при комнатной температуре в течение примерно 15 минут;

д) клетки снова суспензируют в 20 мл среды, содержащей сорбитол и называемой YPG сорбитол (см. таблицу 1 ниже), и инкубируют в течение 20 минут при 30°C и при умеренной перемешивании;

е) центрифугируют в течение 3 минут со скоростью 2500 оборотов в минуту;

ж) клетки снова суспензируют в 9 мл буфера для трансформации следующего состава: 1М сорбитола 10 mM Трис-НС1, pH=7.5; и 10 mM хлорида кальция;

з) берут 0.1 мл клеток и 5 мкл раствора ДНК (около 5 мкг) и полученную суспензию оставляют стоять в течение 10-15 минут при комнатной температуре;

и) добавляют 1 мл раствора следующего состава: 20% ПЭГ (полиэтиленгликоля) 4000, 10 mM Трис-НС1, pH=7.5, и 10 mM хлорида кальция;

к) 0.1 мл полученной в п. и) суспензии вносят в пробирку, содержащую твердую регенерационную среду без лейцина (см. таблицу 1 ниже), предварительно расплавленную и поддерживаемую в жидком состоянии примерно при 45°C. Суспензию выливают в чашку Петри, содержащую затвердевший слой из 15 мл твердой регенерационной среды без лейцина.

Трансформанты начинают появляться по истечении трех дней. Таким образом, получают трансформант, называемый штамм EMY761 pEMR673.

#### Таблица 1

Состав и приготовление основных сред, используемых в протоколе трансформации штамма дрожжей EMY 761

– жидкая среда YPG:

10 г дрожжевого экстракта (Bacto-Yeast -экстракт, Дифко)

20 г пептона (бактопептон, Дифко) 20 г глюкозы;

смешать ингредиенты в дистиллированной воде; дополнить до конечного объема 1 л с помощью дистиллированной воды; автоклавировать в течение 15 минут при 120°C.

– среда YPGсорбитол:

использовать состав жидкой среды YPG: к которой, после автоклавирования, добавляют сорбитол в концентрации 1 моль.

– твердая регенерационная среда без лейцина:

6.7 г азотистого основания дрожжей без аминокислот (Дифко);

20 мг аденина

20 мг урацила

20 мг L-триптофана

20 мг L-гистидина

20 мг L-аргинина

20 мг L-метионина

30 мг L-тирозина

30 мг L-изолейцина

30 мг L-лизина

50 мг L-фенилаланина

100 мг L-глутаминовой кислоты

150 мг L-валина

20 г глюкозы

30 г агара

182 г сорбитола;

смешать все ингредиенты в дистиллированной воде; дополнить объем до 1 л с помощью дистиллированной воды; автоклавировать в течение 15 минут при 120°C; после автоклавирования добавить 200 мг L-тронина и 100 мг L-аспарагиновой кислоты.

#### Раздел 10

Экспрессия в эрленмайере протеина NC30 трансформированным штаммом дрожжей и обнаружение протеина в культуральной среде на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия

##### 1) Культивирование штамма EMY761 pEMR673

Колонию штамма EMY761 pEMR673 (получен в разделе 9) культивируют в 50 мл жидкой среды без урацила. Эта среда содержит на литр:

- 6.7 г азотистого основания дрожжей без аминокислот (Дифко);
- 5.0 г казеинового гидролизата (казаминокислоты, Дифко);
- 10 г глюкозы.

После перемешивания в течение ночи при 30°C, культуру центрифугируют в течение 10 минут, осадок после центрифугирования обрабатывают с помощью 10 мл стерильной воды и снова центрифугируют в течение 10 минут. Экспрессию протеина NC30 индуцируют, активизируя клетки в 50 мл среды следующего состава:

- 6.7 г/л азотистого основания дрожжей без аминокислот (Дифко);
- 5.0 г/л казеинового гидролизата (казаминокислоты, Дифко);
- 30.0 г/л глицерина;
- 30.0 г/л галактозы;
- 10 мл/л этанола.

Культивируют в течение 24 часов при перемешивании и при 30°C.

## 2) Анализ экспрессированного протеина:

- a) полиакриламидный гель в присутствии додецилсульфата натрия

Подготовка образцов:

Часть клеток, культивированных в течение 1 ночи в среде, называемой жидкой средой без урацила, с глюкозой, состав которой конкретно приводится ниже в таблице 2, центрифугируют: неиндуцированный образец. Клетки, культивированные в течение 1 ночи в среде, называемой жидкой средой без урацила, с этанолом, глицерином и галактозой (таблица 2 ниже), центрифугируют: индуцированный образец. Супернатант собирают. К 10 мл супернатанта добавляют 5 мл 50 %-ной трихлоруксусной кислоты, содержащей 2 мг/мл дезоксихолята.

Смесь выдерживают в течение 30 минут при температуре +4°C, затем центрифугируют в течение 30 минут. Осадок после центрифугирования обрабатывают примерно 1 мл охлажденного ацетона (+4°C) и снова центрифугируют в течение 30 минут. Осадок, после высушивания, обрабатывают примерно 20 мкл буфера, называемого заполняющим буфером (*tampon de charge*), который состоит из 0.125 М Трис-НС1, pH=6.8; 4 % додецилсульфата натрия, 0.002 % бром-фенолового синего, 20 % глицерина, 10 % β-меркаптоэтанола, согласно протоколу, описанному Лэммили в 1970 г., что хорошо известно специалисту. Осадок растворяют путем кипячения в течение 15 минут, затем нейтрализуют.

Образцы помещают на акриламидный гель в присутствии додецилсульфата натрия и подвергают электрофорезу.

## Результаты

Анализ геля (обнаружение по Кумасси-синему) для индуцированного образца показывает присутствие нескольких дополнительных полос (зон) по сравнению с неиндуцированным образом, из которых два основных соответствуют молекулярной массе 9 ± 2 и 16 ± 2 кДа. Другие наблюдаемые дополнительные полосы, которые довольно многочисленны и диффузны, вероятно, соответствуют изменяющейся степени гликозилирования.

Известно, что N-гликозилирование протеина дрожжами включает простое N-гликозилирование ("сердцевинное гликозилирование") в эндоплазматической сети и N-гипергликозилирование ("внекепочное гликозилирование") в аппарате Гольджи (R.A. Hit-zeman и др., 1990, *Methods in Enzymology №185*, (Academic Press, p. 421-440). Вообще, простое N-гликозилирование приводит к гликопротеину с однородной кажущейся массой (одна полоса), а N-гипергликозилирование приводит к гликопротеину с неоднородной кажущейся молекулярной массой (множество диффузных полос).

## б) Иммуноимпринтинг (вестерн-блотирование) с возможной обработкой эндогликозидазой Н

### Приготовление образцов

Часть клеток, культивированных в течение ночи в жидкой среде без урацила, с глюкозой (таблица 2), центрифугируют: неиндуцированный образец. Клетки, культивированные в течение ночи в жидкой среде без урацила, с этанолом, глицерином и галактозой (таблица 2), центрифугируют: индуцированный образец. Супернатант собирают. К 10 мл супернатанта добавляют 5 мл 50 %-ной трихлоруксусной кислоты, содержащей 2 мг/мл дезоксихолята.

Смесь выдерживают при температуре +4°C в течение 30 минут, затем центрифугируют в течение 30 минут. Осадок после центрифугирования обрабатывают примерно 1 мл охлажденного ацетона (+4°C) и снова центрифугируют в течение 30 минут. Осадок после центрифугирования

обрабатывают 20 мкл растворяющего буфера (состава: Трис-HCl с pH=6.8, 10 ммоль; 2 % β-меркаптоэтанола; 1 % додецилсульфата натрия). Осадок выдерживают при 100°C в течение 5 минут.

Образец затем делят на две части:

– к первой части, равной 10 мкл, добавляют 10 мкл 50 мМ натрийцитратного буфера с pH=5.5, содержащего эндогликозидазу Н (5 μl: Boehringer, стандартное обозначение: 1088726). Образец выдерживают при 37°C в течение примерно ночи. Затем добавляют 20 мкл заполняющего буфера;

– ко второй части, равной 10 мкл, добавляют 10 мкл заполняющего буфера. Образцы кипятят в течение 10 минут.

Образцы помещают на поликарбамидный гель в присутствии додецилсульфата натрия и осуществляют электрофорез согласно протоколу Лэммли (ссылка приведена выше).

Содержащиеся в геле протеины затем переносят на нитроцеллюлозную мембрану (согласно способу H. Towbin и др., 1979, Proc. Natl Acad. Sci. US, 76, 4350-4354). Иммунодетектирование, осуществляющееся согласно протоколу, описанному в наборе для анализа путем иммуноблотирования фирмы Биорад (стандартное обозначение: 170-6450), включает следующие стадии:

– насыщение нитроцеллюлозной мембранны буфером ЗТР ("трикс-забуференный физиологический раствор"), который содержит 3 г/100 мл желатина, в течение 30 минут;

– промывка мембранны с помощью буфера, называемого ЗТР (буфер ЗТР, который содержит 0.05% Твина 20), два раза в течение 5 минут;

– введение в контакт мембранны с иммunoсывороткой, приготовленной в разделе 13, в течение 1 часа при комнатной температуре;

– промывка мембранны с помощью буфера ЗТР, два раза в течение 5 минут;

– введение в контакт мембранны с конъюгируемым антителом из набора;

– промывка мембранны с помощью буфера ЗТР два раза в течение 5 минут и один раз в течение 5 минут с помощью буфера ЗТР;

– комплекс антиген-антитело обнаруживают путем введения в контакт мембранны с проявляющим буфером, содержит 5-бром-4-хлор-3-индолил-фосфат (BCIP) и нитротетразолиевый синий (NBT);

– промывка мембранны водой.

#### Результаты:

Анализ путем вестерн-блотирования для индуцированного, необработанного эндогликозидазой Н, образца показывает наличие нескольких дополнительных полос (зон) по сравнению с неиндуцированным образцом, две основные полосы которого соответствуют молекулярной массе около  $9 \pm 2$  и  $16 \pm 2$  kDa. Также обнаруживаются другие многочисленные и диффузные полосы с более высокой молекулярной массой. Все эти полосы распознаются с помощью иммunoсыворотки, приготовленной в разделе 13.

В индуцированном образце полоса, соответствующая молекулярной массе около  $16 \pm 2$  kDa, имеет тенденцию к исчезновению после обработки эндогликозидазой Н, тогда как полоса с массой  $9 \pm 2$  килодалтонов увеличивается по интенсивности в тех же условиях. Эти результаты показывают, что протеин с молекулярной массой около  $16 \pm 2$  kDa является N-гликозилированным.

Диффузные полосы с более высокой молекулярной массой также исчезают и замечают появление двух полос, соответствующих молекулярным массам около  $18 \pm 2$  и  $20 \pm 2$  kDa. Формы протеина NC30, устойчивые к обработке эндогликозидазой Н, могут соответствовать предшественнику, сохраняющему pro-последовательность, феромона, или O-гликозилированным формам протеина NC30.

#### Таблица 2

Состав и приготовление некоторых сред, используемых для получения образцов

– жидкая среда без урацила, с глюкозой

– 6.7 г азотистого основания дрожжей без аминокислот (Дифко)

– 5.0 г казеинового гидролизата (казаминокислоты, Дифко)

– 10.0 г глюкозы;

смешать все ингредиенты в дистиллированной воде и дополнить среду до конечного объема 1 л с помощью дистиллированной воды; автоклавировать в течение 10 минут при 120°C;

– жидкая среда без урацила, с этианолом, глицерином и галактозой:

использовать состав жидкой среды без урацила, описанный выше, но без глюкозы. После автоклавирования добавить 10 мл 100%-ного этианола, 30 г глицерина и 30 г галактозы.

#### Раздел 11

Продуцирование протеина NC30 в ферментере с помощью штамма EMY761 pEMR673

Культивирование штамма EMY761 pEMR673 осуществляют в ферментере следующим образом:

##### а) Фаза предкультивирования в конической колбе с перегородками

Исходя из 1 мл культуральной суспензии, содержащей 20% глицерина, вышеуказанного штамма с числом клеток, соответствующим оптической плотности 3 для  $\lambda = 600$  нм (на спектрографе Контрон), засевает коническую колбу с перегородками емкостью 500 мл, содержащую 90 мл полусинтетической среды для выращивания автоклавируемой фазы (MCHPA), дополненные 1.28 г буфера МЭС – на основе 2-(N-морфолино) этансульфокислоты – (М 8250, Сигма), и 10 мл полусинтетической среды для выращивания отфильтровываемой фазы (MCHPF). Химические составы и способ приготовления сред MCHPA и MCHPF приводятся конкретно ниже. После инкубации с течение 24 часов при перемешивании при  $30^{\circ}\text{C}$  оптическая плотность культуры при  $\lambda = 600$  нм составляет около 7.

##### б) Фаза роста в ферментере

Вышеуказанную культуру используют для засеваания ферментера емкостью 2.5 л, предварительно заполненного 800 мл среды MCHPA и 100 мл среды MCHPF.

pH-значение культуры в ферментере устанавливают 5.5. Точно также давление кислорода поддерживают выше 4000 Па (30 мм. рт.ст.) путем регулирования перемешивания. Первоначально расход воздуха устанавливают равным 1 л/мин, или около 1 объема на один объем в минуту, затем, в зависимости от потребностей, ступенчато увеличивают.

После культивирования в течение 6-7 часов при  $30^{\circ}\text{C}$ , добавляют, равномерно и в течение 9 часов, 72 мл раствора глюкозы с концентрацией 500 г/л, или в целом 36 г глюкозы.

##### в) Фаза экспрессии в ферментере

К вышеописанной смеси добавляют 100 мл полусинтетической среды для экспрессии автоклавируемой фазы (MEHPA) и 100 мл полусинтетической среды для экспрессии отфильтровываемой фазы (MEHPF), химические составы и способ приготовления которых указываются конкретно ниже. Культивирование затем продолжают в течение примерно 5 часов без всякой добавки. За концентрациями трех источников углерода (глицерин, галактоза, этианол) следят с помощью ВЭЖХ и дополняют путем стерильных инъекций, чтобы соблюдать следующие значения:

15 г/л глицерина, 15 г/л этианола, 7.5 г/л галактозы. Спустя 23-24 часа и при индукции, достигают оптической плотности при  $A = 600$  нм, близкой к 90, и культивирование прекращают.

Культуральную суспензию затем центрифугируют с ускорением 11 500 g в течение 30 минут. Осадок клеток дрожжей удаляют, сохраняемый супернатант замораживают при  $-80^{\circ}\text{C}$ .

Химический состав сред для выращивания и экспрессии

– Полусинтетическая среда для выращивания автоклавируемой фазы "MCHPA"

Состав	В расчете на конечный объем 800 мл (со сверхчистой водой)
HTK (нитрилуксусная кислота)	1 г
K <sub>2</sub> SO <sub>4</sub>	1 г
Хлорид натрия	0.5 г
MgSO <sub>4</sub> · 7H <sub>2</sub> O	1.0 г
CaCl <sub>2</sub> · 7H <sub>2</sub> O	700 мг

Глутаминовая кислота HY – CASE SF (Sheffield Products)	3.7 г 25 г
Лейцин	1.8 г
Гистидин	500 мг
Метионин	1 г
Микроэлементы типа 1 – S (см. ниже)	5 мл

Довести до рН = 5.5 с помощью концентрированной серной кислоты или концентрированного раствора гидроксида калия. Автоклавировать в течение 20 минут при 120°C.

– Перечень микроэлементов типа 1 – S

Микроэлементы	В расчете на конечный объем 1 л (со сверхчистой водой)
Сульфат меди CuSO <sub>4</sub> · 5H <sub>2</sub> O	780 мг
Борная кислота H <sub>3</sub> BO <sub>3</sub>	5 г
Сульфат цинка ZnSO <sub>4</sub> · 7H <sub>2</sub> O	3 г
Иодид калия KI	1 г
Сульфат марганца MnSO <sub>4</sub> · 2H <sub>2</sub> O	3.5 г
Молибдат натрия Na <sub>2</sub> MoO <sub>4</sub> · 2H <sub>2</sub> O	2 г
Хлорид железа FeCl <sub>3</sub> · 6H <sub>2</sub> O	4.8 г

Добавить к раствору 100 мл концентрированной соляной кислоты. Долить до 1 000 мл.

– Полусинтетическая среда для отфильтровываемой фазы "MCHPF"

Состав	В расчете на конечный объем 100 мл (со сверхчистой водой)
KH <sub>2</sub> PO <sub>4</sub>	4 г
Триптофан	350 мг
Витамины типа I - S (см. ниже)	1 мл
Глюкоза	15 г

Нагревать для растворения, разбавлять, добавлять витамины типа I - S и стерилизовать путем фильтрации через мембрану 0.2 мкм.

– Перечень витаминов типа I – S

Витамины	В расчете на конечный объем 100 мл (со сверхчистой водой)
Биотин	5 мг
Фолиевая кислота	4 мг
Ниацин	6 мг
(Пиридоксин-никотиновая кислота. HCl)	250 мг
Тиамин. HCl	1 г
Пантотенат кальция	5 г
М-иноситол	10 г

После растворения дополнить до объема 100 мл. Стерильно фильтровать на холоде, через мембрану 0.2 мкм. Хранить при температуре +4°C.

Полусинтетическая среда для экспрессии автоклавируемой фазы "МЕНРА"

Состав	В расчете на 400 мл (со сверхчистой водой)
HTK	1 г
K <sub>2</sub> SO <sub>4</sub>	1.74 г
Глутаминовая кислота	5 г
HY-CASE SF (Sheffield Products)	20 г
Лейцин	1.8 г

Гистидин	500 г
Метионин	1 г
Триптофан	350 мг
MgSO <sub>3</sub> · 2H <sub>2</sub> O	600 мг
Микроэлементы типа I – S (см. выше)	5 мл

Довести pH до 5.5 с помощью концентрированной серной кислоты или концентрированного раствора гидроксида калия. Автоклавировать в течение 20 минут при температуре 120°C.

– Полусинтетическая среда для экспрессии отфильтровываемой фазы "МЕНРФ"

Состав	В расчете на конечный объем 100 мл (со сверхчистой водой)
KH <sub>2</sub> PO <sub>4</sub>	2 г
Триптофан	350 мг
Витамины типа I – S (см. выше)	1 мл
Глицерин	15 г
Этанол	15 г
Галактоза	7.5 г

Нагревать для растворения, разбавлять, добавлять витамины и стерилизовать путем фильтрации через мембрану 0.2 мкм.

г) Анализ продуцированного протеина

Образцы готовят способом, аналогичным таковому, описанному в разделе 10, и подвергают электрофорезу на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия. Наблюдают распределение полос (зон) на геле, идентичное таковому, наблюдаемому в разделе 10 для индуктированного образца.

#### Раздел 12

Очистка продуцированного в дрожжах протеина NC30 и определение его аминоконцевой последовательности и его пептидной карты

##### 1) Очистка двух мажоритарных форм протеина NC30

Выделяют две мажоритарные формы рекомбинантного протеина дрожжей, полосы которых соответствуют молекулярным массам, после электрофореза на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия, составляют около  $9 \pm 2$  и  $16 \pm 2$  кDa и очищают, исходя из 500 мл супернатанта, полученного в разделе 11, согласно следующему методу:

Осуществляют последовательно несколько стадий:

– ионообменная хроматография на колонке Q fast flow (Фармация) (5x5 см), предварительно уравновешенной с 50 mM раствором ацетата натрия, pH=4.0. Расход: 1 мл/мин. pH-значение супернатанта предварительно доводят до 4.0. В этих условиях работы протеин не фиксируется на геле;

– ионообменная хроматография на колонке S. fast flow (Фармация) (5 x 4 см), предварительно уравновешенной с 50 mM раствором ацетата натрия, pH=4.0, при использовании в качестве элюирующего средства 1M раствора хлорида натрия в 50 mM натрий-ацетатном буфере, pH=4.0. Расход: 1 мл/мин:

– элюат концентрируют на мембране YM5 (Амикон) вплоть до объема около 2 мл, затем вносят в колонку для гель-фильтрации ACA 54 (IBF) (100 x 1.5 см), уравновешенную в 0.1 M фосфатном буфере, содержащем 0.14 M NaCl; расход: 0.2 мл/мин. Фракции, содержащие рекомбинантный протеин (определяют путем электрофоретического анализа на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия) объединяют.

Таким образом, полученный раствор подвергают электрофоретическому анализу на поликариламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия и проявляют нитратом серебра. Наблюдают две мажоритарные формы протеина NC30, соответствующие молекулярным массам около  $9 \pm 2$  и  $16 \pm 2$  кDa, со степенью чистоты выше 70 %. Этот раствор используют в нижеописанных тестах на биологическую активность.

В другом эксперименте в этот протокол (методику) очистки вводят стадию ВЭЖХ с обратимой фазой на колонке C4 (Brounlee) при использовании в качестве элюирующего средства линейного градиента от 30 до 70 % ацетонитрила в 0.1 %-ном растворе ТФК (трифтормуксусная

кислота), что позволяет получать продукт, имеющий степень чистоты выше 90 % (оценивают путем электрофоретического анализа на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия и проявляют нитратом серебра).

2) Определение аминоконцевой последовательности двух мажоритарных форм протеина NC30:

Очищенный протеин подвергают электрофорезу на 16 %-ном полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия. Протеины геля переносят на мембрану Иммобилон (Миллипор), при 0.8 mA/cm<sup>2</sup>, в течение 1 часа в буфере состава: 25 mM трис-бората, pH=9.0, и 10 % метанола.

Две полосы, соответствующие молекулярным массам около 9 ± 2 kDa и 16 ± 2 kDa, вырезают и помещают в секвенатор Applied Biosystems, модель 470 A, соединенный с анализатором фенилтиогидантоновых производных Applied Biosystems, модель 120 A.

Эти две полосы имеют одну и ту же аминоконцевую последовательность (tr<sub>1</sub>):

Ser Pro Gly Pro Val Pro Pro Ser Thr Ala Leu,

1	5	10
---	---	----

которая является ожидаемой аминоконцевой последовательностью: последовательность зрелого протеина из 114 аминокислот (см. фиг. 2), описанная в разделе 5, кодирующую последовательность которого вводят в вектор pEMR 673, описанный в разделе 9.

3) Определение пептидной карты формы протеина NC30 с молекулярной массой около 9 ± 2 kDa

Протеин с молекулярной массой около 9 ± 2 kDa расщепляют в геле с помощью свиного трипсина и пептиды разделяют с помощью ВЭЖХ с обратимой фазой в следующих условиях:

Полученный в разделе 11 супернатант дрожжей осаждают с помощью трихлоруксусной кислоты и преципитат, после растворения при 100°C в буфере, содержащем додецилсульфат натрия, подвергают электрофорезу на полиакриламидном геле. Протеины геля проявляют с помощью Кумасси-синего. Из геля вырезают полосу с молекулярной массой около 9 ± 2 kDa и гидролизуют с помощью свиного трипсина в геле согласно методу, описанному в статье J. Rosenfeld и др., находится в процессе публикации "In gel digestion of proteins for internal sequence analysis after one or two dimensional gel electrophoresis".

Затем трипсиновые пептиды разделяют путем ВЭЖХ обратимой фазой на колонке Altex C 18 (0.21 x 25 см) Бекмана с градиентом от 1 до 70 % ацетонитрила в 0.1 %-ном растворе ТФК в течение 60 минут. Пики определяют путем измерения оптической плотности при 218 нм.

Две фракции, соответствующие каждая одному пику, называемые ниже первая фракция и вторая фракция, анализируют с помощью секвенатора Applied Biosystems, модель 470 A, как указано выше.

Полученные аминокислотные последовательности представляют собой следующие:

– для первой фракции: Val Ser Ala Gly Gln Phe Ser Ser Leu His Val, которая соответствует аминокислотам 108-118 преобразованного (traduite) протеина NC30 (см. рисунок 2);

– для второй фракции: Ser Pro Gly Pro Val Pro Pro Ser Thr Ala Leu и Lys Leu Phe, которые соответствуют, соответственно, аминокислотам 33-43 и 138-140 преобразованного протеина NC30 (см. рисунок 2).

### Раздел 13

Цитоплазматическая экспрессия протеина NC30 в *E. coli* и приготовление иммуносыворотки

1) Цитоплазматическая экспрессия протеина NC30 в *E. coli*:

Экспрессирующий вектор зрелого протеина NC30 из 112 аминокислот, метионилированного в *E. coli*, называемый pSE714.12, конструируют путем вставки в открытый в сайтах NdeI и BamHI вектор pET3a. фрагмента ДНК, содержащего часть кДНК NC30. Этот экспрессирующий вектор включает от 5'-конца к 3'-концу:

– промотор РНК-полимеразы фага T7, содержащийся в плазмиде pET3a, описанной Rosenberg и др., Gene, 56, 125-135;

– часть кДНК NC30, которая кодирует зрелый протеин из 112 аминокислот (см. раздел 5), предшествующий ATG-инициатору трансляции;

– терминатор гена 10 фага T7 (Studier и др., 1986, J. Mol., Biol., 189, 113-130).

Эта кассета экспрессии функционирует только в присутствии специфической РНК-полимеразы фага T7. Следовательно, нужно синтезировать эту РНК-полимеразу в штамме – хозяине *E. coli*. Кассету экспрессии этой РНК-полимеразы конструируют, ставя кодирующую этот фермент последовательность (клонированную в ДНК лямбда-фага СЕ6, согласно Studier и др., 1986, J. Mol. Biol., 189, 113-130) в зависимость от промотора PR лямбда-фага. Эта кассета экспрессии также включает аллель Cl (C1857), кодирующий термоочувствительную форму репрессора этого промотора PR (P. Leplatois и др., 1983, Biochimie, 65, 317-324). Следовательно, при низкой температуре, кассета экспрессии ДНК-полимеразы подавляется, при высокой температуре экспрессия не подавляется. Эту кассету экспрессии клонируют в векторе интеграции pEJL407, происходящем от плазмид N. Kleckner (1984, Gene, 32, 369-379). Полученный вектор представляет собой плазмиду pEMR648. Этот вектор поддерживается в эпизомическом состоянии в клетке, но он вызывает интеграцию одной или нескольких копий кассеты экспрессии полимеразы (включая туда репрессор Cl), когда индуцируют транспозицию с помощью IPTG-(изопропил-β-тио-галактозид). Транспозаза, ответственная за эту интеграцию, находится под контролем гена lac I, но сама она не преобразуется, что позволяет получать стабильные интегранты после удаления плазмиды. Трансформируя штамм *E. coli* K. 12 HB101 (Гибко BRL, стандартное обозначение: 8260 SA) с помощью pEMR648, затем вызывая процессы (события) интеграции на трансформантах, получают производное HB101, называемое VG112, которое включает 2 кассеты экспрессии полимеразы фага T7 под контролем термоочувствительной системы PL-Cl, интегрированные в хромосому. Штамм VG112 *E. coli* очищают от плазмиды pEMR648 и трансформируют, при низкой температуре (30°C), с помощью плазмиды pEMR714.

Полученный трансформант, называемый штаммом VG112 pSE714.12, и депонированный в Национальной коллекции микроорганизмов 20 декабря 1991 г. под номером 1-1162, культивируют в среде LB, содержащей ампициллин в концентрации 100 мкг/мл, при 30°C вплоть до оптической плотности при 600 нм, равной 1. Затем экспрессию гена полимеразы индуцируют с помощью IPTG при 41°C в течение 2 часов. Анализ всего клеточного экстракта на денатурирующем полиакриламидном геле позволяет выявить протеин в 9 килодальтонов, соответствующий лишней полосе, по сравнению с выделенным и нетрансформированным штаммом VG112 (контрольный штамм). Лизис клеток путем обработки ультразвуком с последующим центрифугированием позволяет разделить клеточный экстракт на 2 фракции: растворимую фракцию (супернатант) и нерастворимую фракцию (осадок). Протеин NC30 находится с протеинами нерастворимой фракции и составляет около 90 % мас. протеинов этой фракции.

## 2) Приготовление иммуносыворотки, распознающей протеин NC30

Эту нерастворимую фракцию используют для иммунизации кролика (самец весом около 2 кг, Новая Зеландия). Иммунизации осуществляют все 15 дней согласно протоколу, описанному Vaitukaitis, 1981, Methods in Enzymology, 73, 46. Для первой инъекции, один объем раствора антигена эмульгируют в одном объеме полного стимулятора Freund (Сигма; стандартное обозначение: 4258). 6 повторений осуществляют путем введения неполного стимулятора Freund (Сигма, стандартное обозначение: 5506).

Полученная иммуносыворотка способна распознавать протеин NC30, продуцируемый дрожжами и клетками COS, путем иммунодетектирования после электрофореза на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия.

## 3) Характеристика протеина NC30 с помощью пептидной карты

Полученную в п. 1) нерастворимую фракцию подвергают электрофорезу на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия. Протеины геля обнаруживают путем окрашивания Кумасси-синим. Полосу, соответствующую кажущейся молекулярной массе  $9 \pm 2$  kDa, вырезают из геля и гидролизуют с помощью свиного трипсина в геле и трипсиновые пептиды разделяют как описано в разделе 12-3).

Соответствующую пику фракцию анализируют с помощью секвенатора Applied Biosystems, модель 470A. Полученная аминокисловая последовательность является следующей: Val Ser Ala Gly Cln Phe Ser Ser Leu N Val Arg, в которых N обозначает не определенную аминокислоту.

Эта последовательность соответствует аминокислотам 108-119 преобразованного протеина NC30 (см. фиг. 2) и пептиду первой фракции, проанализированному в разделе 12.

Раздел 14

Выявление для протеина NC30 ингибирующей активности в отношении продуцирования информационных РНК 1L – 1 $\beta$  и 1L – 6 моноцитами периферической крови, стимулированными ЛПС

1) Используемый метод

а) Подготовка клеток

Из аликвоты (*upne poche*) периферической крови (предварительно отобранный у здоровых доноров в центре переливания крови) удаляют большую часть эритроцитов путем седиментации при 37°C в течение 30 мин в среде, содержащей 0.6 % декстрана и 0.09 % хлорида натрия. Затем клетки помещают поверх слоя Ficoll – Paque (Фармация) и центрифугируют при 400 g в течение 30 минут. Мононуклеарные клетки периферической крови (PBMNC), которые находятся на поверхности раздела между Ficoll и супернатантом, отбирают. PBMNC помещают в среду RPMI (среда RPMI 1640, Гибко BRL), содержащую 10 % плодной телячьей сыворотки (SVF), находящуюся в чашках для культивирования диаметром 15 см, по 1-5 x 10<sup>7</sup> клеток на чашку. Спустя 30 минут среду отсасывают и приросшие к чашке клетки (в основном образованные моноцитами) инкубируют как описано ниже.

б) Инкубация клеток с ЛПС и протеином NC30

Приросшие PBMNC инкубируют в 20 мл RPMI/10 % плодной телячьей сыворотки в течение 4 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода, в присутствии 5 мкг на мл липополисахарида (ЛПС) (стандартное обозначение: 1.4391, Сигма) и возрастающих концентраций NC30, происходящего от очищенных дрожжей (0.1-10 нг/мл), или супернатантов клеток COS, либо трансфектированных плазмидой pSE1 NC30 и культивированных как описано в разделе 7, либо трансфектированных плазмидой pSE1 и культивированных в тех же условиях (контроль).

в) Получение и анализ РНК

Клетки промывают с помощью ЗФР, затем соскабливают прямо в 1 мл буфера D (следующего состава: 4 M тиоцианата гуанидиния; 25 mM цитрата натрия; 0.5 % сарказила; 0.1 M  $\beta$ -меркаптоэтанола; Chomczynski P. и Sacchi N. (1987), Anal. Biochem., 162, 156-159). РНК получают методом экстракции фенолом при кислом значении pH, описанным этими авторами. Наносят 1-5 мкг РНК на 1%-ный агарозный гель в присутствии формальдегида (Sambrook и др., цитировано выше). После миграции, РНК переносят на усиленную нитроцеллюлозную мембрану (Schleicher и Schuell) и гибридизируют с радиар-кированными кДНК-зондами, как в разделе 4. Интенсивности гибридизации каждой РНК с различными зондами определяют (количественно) путем фосфоресцентного анализа на приборе Phosphorimager (Molecular Dynamics, 800E авеню Arques Avenue Sunnyvale, Ca, 94086-(Etats-Unis)).

2) Результаты

Средние значения и стандартные отклонения результатов, полученных и очищенным протеином NC30 в четырех экспериментах, представлены в нижеприводимой таблице 3, в которой количество информационных РНК, определенные путем фосфоресцентного анализа, выражены в виде процента по отношению к количеству информационной РНК, определенному для образца, происходящего от клеток, обработанных одним ЛПС.

Таблица 3

Количество информационных РНК 1L-1 $\beta$  и 1L-6, определенные для различных концентраций протеина NC30

	Количество информационных РНК	
	1L-1 $\beta$	1L-6
Условие стимуляции клеток		
ЛПС (липополисахарид)	100	100

ЛПС + протеин NC30 в концентрации 0.1 нг/мл	$97 \pm 36$	$77 \pm 18$
ЛПС + протеин NC30 в концентрации 1 нг/мл	$54 \pm 39$	$24 \pm 11$
ЛПС + протеин NC30 в концентрации 10 нг/мл	$30 \pm 5$	$13 \pm 4$

Из таблицы, приводимой выше, следует, что аккумуляция информационных РНК 1L – 1 $\beta$  и 1L-6 в моноцитах, обработанных с помощью липополисахарида, инкубируется протеином NC30. Наиболее значительное ингибирование обнаруживают для концентрации 10 нг/мл протеина NC30, и доза для достижения ингибирования на 50% ( $IC_{50}$ ) составляет величину порядка 1 нг/мл.

Точно так же устанавливают ингибирование продуцирования информационных РНК 1L-1 $\beta$  и 1L-6 в присутствии супернатантов клеток COS, трансфектированных плазмидой pSE1-NC30, и не обнаруживают никакого ингибирования в присутствии супернатантов контрольных клеток COS.

Также во время других экспериментов устанавливают ингибирование продуцирования протеинов 1L-1 $\beta$  и 1L-6 в культуральных средах моноцитов, обработанных ЛПС, в присутствии протеина NC30. 1L-6 анализируют количественно по его воздействию на пролиферацию линии гибридомы B9 по методу, описанному I.A. Aarden, 1987, Eur. J. Immun., 17, 1411-1416 (Количество протеина NC30, присущее в образцах, не интерферирует с определением по линии B9 количества IL-6, продуцируемых моноцитами). Определение IL-1 $\beta$  осуществляют на клетках EL 4 по методу, описанному E.W. Palaszynski, 1987, Biochem. and Biophys. Res. Comm., 147, с. 204-211, который состоит в определении (количественно) конкуренции связывания с радиомаркированным IL-1 $\beta$ .

#### Раздел 15

Выявление для протеина NC30 модуляции количества поверхностного антигена CD23 В-клетками миндалин

- 1) Используемый метод
- a) Подготовка клеток

Человеческие миндалины извлекают путем хирургического вмешательства у девочки в возрасте 6 лет. Миндалины разрывают скальпелем в среде RPMI, охлажденной до 4°C. Увеличившиеся в объеме в среде после этой операции клетки отфильтровывают через марлю, чтобы получить гомогенную суспензию клеток. После двух промывок клетки подсчитывают и обрабатывают в плодной телячьей сыворотке, содержащей 10 % диметилсульфоксида (Мерк). По  $7.5 \cdot 10^6$  клеток в объеме 1 мл распределяют на каждую пробирку для замораживания. Клетки помещают в термостат с температурой -80°C на 24 часа, затем хранят в жидком азоте.

- б) Инкубация клеток с протеином NC30

В день эксперимента, аликвоту клеток размораживают при 37°C, затем медленно разбавляют с помощью 50 мл среды RPMI, содержащей 10 % плодной телячьей сыворотки. Клетки центрифугируют для удаления диметилсульфоксида. После подсчета клеток, 100 мкл суспензии клеток, доведенной до концентрации  $4 \cdot 10^6$  клеток/мл, наносят на микротитрационные планшеты с 96 лунками (NUNC).

Очищенный протеин NC30 в различных концентрациях добавляют в среду RPMI, содержащую 10 % плодной телячьей сыворотки. 100 мкл среды с различными концентрациями протеина добавляют к клеткам в лунках для микрокультуры. Инкубацию осуществляют в течение 48 часов при 37°C в атмосфере, содержащей 5 % диоксида углерода.

- в) Маркировка клеток для иммунофлуоресценции

После инкубации, клетки переносят в микропробирки (Labsystem). Для обычного иммунофлуоресцентного анализа, к суспензии клеток добавляют 10 мкл анти-CD23-антитела в сочетании с флуоресцеинизотиоцианатом (ФИТЦ) (Immunotech). Для анализа по методу двойных флуоресцирующих антител, к суспензии клеток одновременно добавляют 10 мкл анти-CD23-антитела в сочетании с фикоэритрином и 10 мкл анти-CD20-антитела в сочетании с ФИТЦ (Beckon Dickinson).

Инкубацию осуществляют в течение 30 минут при 4°C, затем клетки центрифугируют и осадок после центрифугирования обрабатывают с помощью 250 мкл охлажденного буфера ЗФР. С

целью выявления клеток, погибших во время анализа, добавляют 50 мкл раствора пропидиумиодида (Сигма) с концентрацией 20 мкг/мл.

г) Анализ с помощью проточной цитометрии

Образцы анализируют путем определения флуоресценции на триере (селекторе) клеток FacStar Plus (Becton Dickinson) с лазерной длиной волны возбуждения флуоресценции 488 нм. Во время анализа путем простой (обычной) иммунофлуоресценции, эмиссии ФИТЦ и пропидиумиодида определяют при использовании, соответственно, интерференционных фильтров 530 и 630 нм. Во время анализа по методу двойных флуоресцирующих антител, дополнительную эмиссию, возникающую вследствие наличия фикоэритрина, улавливают через интерференционный фильтр 575 нм. В случае этого, указанного последним анализа используют электронную компенсационную систему для того, чтобы избежать контаминации флуоресценции ФИТЦ в канале фикоэритрина, флуоресценции фикоэритрина в канале пропидиумиодида, и флуоресценции пропидиумиодида в канале фикоэритрина. Результаты собирают и обрабатывают, используя программное обеспечение LysISII (Becton Dickinson).

2) Результаты

а) Модуляция количества антигена CD23 в клетках миндалин за счет протеина NC30

Средние значения и стандартные отклонения полученных результатов представлены в таблице 4 для инкубации клеток миндалин в течение 48 часов и диапазона концентрации протеина NC30 от  $10^{-3}$  до  $10^2$  нг/мл.

Таблица 4

Изменение процента клеток миндалин, экспрессирующих антиген CD23, в присутствии различных концентраций протеина NC30

Концентрация NC30 (нг/мл)	% клеток, экспрессирующих CD23
0	4.8 ± 1.2
$10^{-3}$	4.8 ± 0.8
$10^{-2}$	4.8 ± 0.4
$10^{-1}$	12.0 ± 2.4
1	17.0 ± 2.5
10	27.3 ± 1.6
$10^2$	20.4 ± 2.5

Устанавливают, что процент клеток миндалин, экспрессирующих антиген CD23 (рецептор слабого сродства к Ig E), является более значительным для концентрации протеина NC30 выше  $10^{-1}$  нг/мл, чем процент, достигаемый в отсутствие протеина NC30. Самое значительное воздействие этого протеина установлено при концентрации 10 нг/мл.

б) Характеризация клеток, в которых протеин NC30 модулирует экспрессию антигена CD23

Характеризацию клеток, которые экспрессируют антиген CD23, осуществляют с помощью иммунофлуоресценции по методу двойных флуоресцирующих антител, используя антитело анти-CD23 в сочетании с фикоэритрином и антитело анти-CD20 в сочетании с ФИТЦ. Это, указанное последним, антитело направлено против рецептора, присутствующего только в клетках В. Анализ путем проточной цитометрии показывает, что фракция клеток В экспрессирует антиген CD23 под действием протеина NC30.

Раздел 16

Выявление воздействия протеина NC30 на пролиферацию линии гибридомы B9

Активность в отношении стимуляции пролиферации линии гибридомы B9 выявляют при использовании супернатантов культуры клеток COS, трансфектированных плазмидой pSE<sub>1</sub>-NC30 (см. раздел 7), и очищенного протеина NC30, происходящего от дрожжей (см. Раздел 12). Эту линию обычно используют для осуществления биологического определения IL-6 (L. A. Aarden, 1987, Eur. J. Immun., 17, 1411-1416).

1) Используемый метод

а) Принцип определения

Принцип этого определения описывается T. Mosman, 1983, J. Immun. Methods, 65, 55-63, и кратко излагается ниже.

Митохондрии включают множественные дегидрогеназы, способные восстанавливать тетразолиевый цикл в формазан. Таким образом, восстановленная соль этого типа, МТТ (3-(4,5-диметилтиазол-2,5-дифенил-тетразолийбромид) дает синее окрашивание с сильным поглощением при 565 нм. Описанное здесь колориметрическое определение позволяет количественно измерять число митохондрий, следовательно, число клеток.

#### б) Культура клеток

Используемые клетки относятся к линии B9, представляющей собой линию гибридомы мышь/мышь, описанную L.A. Aarden, 1987, Eur J. Immunol., 17, 1411-1416. Это неадгезивные клетки, которые пролиферируют в присутствии мышного IL-6 или человеческого IL-6.

#### Культуральная среда

500 мл среды RPMI 1640 без глутамина (стандартное обозначение: 041 – 01870 M, Гибко)  
+ 50 мл плодной телячьей сыворотки (декомплементированная, то есть нагретая в течение 30 минут при 55°C для инактивации фрагментов сывороточного комплемента) (Сигма, стандартное обозначение: F4135)

+ 12.5 мл 100 мМ пирувата натрия (стандартное обозначение:

043 – 01360H; Гибко)

+ 2.5 мл IM Гепес, pH = 7.3 (стандартное обозначение:

043 – 05630D; Гибко)

+ 10 мл 200 мМ глутамина (стандартное обозначение: 043-05030D; Гибко)

Перед самым употреблением добавляют:

– β-меркаптоэтанол (Сигма; стандартное обозначение: M-6250), конечная концентрация 5 × 10<sup>-5</sup> моль;

– IL-6 в конечной концентрации 500 пкг/мл

#### в) Подготовка образцов

Используют два типа образцов: один, получаемый из супернатанта клеток COS, либо трансфектированных плазмидой pSE<sub>1</sub> NC30 и культивированных как описано в разделе 7, либо трансфектированных плазмидой pSE<sub>1</sub> и культивированных в тех же условиях (контроль); другой, получаемый из раствора протеина NC30, происходящего от дрожжей, очищенный согласно разделу 12, в концентрации 50 нг/мл.

#### г) Протокол определения

Определение осуществляют в культуральных планшетах с 96 лунками с плоским дном, причем каждый образец анализируют в ряду из 12 лунок в изменяемых концентрациях.

Клетки линии B9 культивируют, промывают 2 раза культуральной средой без IL-6, снова сусpendingируют в культуральной среде (без IL-6) и инкубируют в течение 2 часов при 37°C. Эта инкубация позволяет лучше удалить IL-6, ответственный за фон при определении. Наконец, клетки снова центрифугируют и сусpendingируют в вышеуказанной культуральной среде (без IL-6) в концентрации 2.10<sup>5</sup> клеток/мл.

В 96-луночные планшеты последовательно вносят:

– 50 мкл культуральной среды (без IL-6) в каждую лунку (за исключением первых лунок каждого ряда);

– 100 мкл испытуемого образца в первую лунку каждого ряда (с разбавлением в 2 раза от лунки к лунке);

– 50 мкл суспензии клеток в каждую лунку (10 000 клеток на лунку).

Планшеты затем помещают в термостат с температурой 37°C и содержащей 5 % диоксида углерода атмосферой.

После инкубации в течение 3 дней, в каждую лунку в стерильных условиях добавляют 10 мкл раствора МТТ (Сигма, стандартное обозначение: 2128) с концентрацией 5 мг/мл в буфере ЗФР. Планшет снова помещают в термостат. С помощью микроскопа можно следить за появлением формазана, который продуцируется в виде синеватых кристаллов живыми клетками. По истечении четырех часов, клетки погибают, супернатант из каждой лунки осторожно отсасывают и кристаллы растворяют в 100 мл 66 %-ного раствора н-пропанола, содержащего 10 % додецилсульфата натрия и 0.04 н HCl. Планшеты на несколько минут помещают на встрихиватель для планшетов, чтобы сделать однородным окрашивание. Затем считывание осуществляют с помощью аппарата для прочтения планшетов при длине волны 565 нм.

Вместо вышеописанного определения с помощью МТТ также можно осуществлять подсчет клеток при использовании микроскопа.

**2) Результаты**

**a) Супернатант клеток COS, содержащий протеин NC30**

Проводят 6 серий измерений: 3 – с различными супернатантами клеток COS, содержащими протеин NC30, и 3 – с различными контрольными супернатантами клеток COS, с различными, для каждой серии, факторами разбавления раствора супернатанта COS.

Полученные результаты представлены на рисунке 6, на котором отражено изменение оптической плотности (каждая точка представляет собой среднюю величину оптической плотности, измеренную для одного и того же фактора разбавления в 3 сериях экспериментов) в зависимости от фактора разбавления раствора супернатанта COS.

При считывании устанавливают, что раствор супернатанта COS, содержащий протеин NC30, в 4-6 раз более активен в пролиферации линии B9, чем раствор контрольного супернатанта COS.

Активность в отношении стимулирования пролиферации линии B9, установленная при использовании раствора контрольного супернатанта COS, возникает вследствие эндогенного продуцирования IL-6 клетками COS, которое может быть количественно определено путем радиоиммунного анализа (РИА), особенно с помощью набора фирмы Амерсхам (стандартное обозначение: RPA 537). Этот радиоиммунный анализ позволяет подтвердить, что увеличение активности в отношении стимулирования пролиферации линии B9 (за счет супернатанта COS, содержащего протеин NC30) не связано со сверхпродуцированием IL-6 клетками COS.

**б) Очищенный протеин NC30, происходящий от дрожжей:**

Проводят две серии измерений: одну – в отношении оптической плотности после окрашивания с помощью МТТ; другую – в отношении плотности клеток путем подсчета клеток на микроскопе с различными для каждой серии концентрациями протеина NC30.

Полученные результаты представлены на рисунке 7, на котором отражено изменение оптической плотности и плотности клеток в зависимости от концентрации протеина NC30, выраженной в нг/мл.

Устанавливают, что очищенный протеин NC30 стимулирует пролиферацию линии B9. ЭД<sub>50</sub> (концентрация, при которой констатируют активность, равную половине полученной максимальной активности) составляет величину порядка 100 нг/мл.

Следует заметить, что клетки B9 являются мышьями клетками, что может объяснить необходимость использования повышенных концентраций протеина NC30 по сравнению с концентрациями, используемыми для воздействия на человеческие клетки (см. разделы 14, 15 и 17).

**Раздел 17**

**Выявление воздействия протеина NC30 на пролиферацию мегакариобластической человеческой линии MO7e в присутствии GMCSF**

Повышение пролиферативной активности GMCSF в отношении мегакариобластической человеческой линии MO7e выявляют с помощью продуцированного в дрожжах протеина NC30 (раздел 12). Эта линия клеток, описанная M. F. Brizzi и др., 1990, British Journal of Haematology, 76, 203-209, строго зависит в своем росте от цитокинов IL3 или GMCSF.

**1) Используемый метод**

**а) Цель**

Речь идет о сравнении пролиферации клеток линии MO7e, культивированных либо в присутствии количества GMCSF, необходимого для половины максимальной пролиферации, либо в присутствии такого же количества GMCSF, к которой добавляют протеин NC30 в изменяемой концентрации.

**б) Принцип определения**

Пролиферацию клеток определяют путем измерения радиоактивности за счет включения содержащего тритий тимидина клетками культуры.

Пролиферирующие клетки используют тимидин для синтеза ДНК. Содержащий тритий тимидин, вводимый в культуру, вступает в конкуренцию с нерадиоактивным тимидином среды и включается в клетки.

Спустя определенное время, клетки рекуперируют на фильтре и, для удаления избытка содержащего тритий тимидина, не внедренного в клетки, промывают. Каждый фильтр затем анализируют с помощью гамма-счетчика. Пролиферативную активность выражают в виде числа импульсов в минуту внедренного, содержащего тритий тимидина.

**в) Культура клеток**

Используемые клетки относятся к линии МО7e, которая представляет собой мегакарио-областическую человеческую линию, установленную M. F. Brizz. и др. (цитировано выше). Это неадгезивные клетки, которые пролиферируют в присутствии человеческого IL-3 или человеческих GMCSF. Половина полученной максимальной активности ( $\text{ЭД}_{50}$ ) составляет:

35 пг/мл для GMCSF (Genzyme стандартное обозначение: RM-CSF-C);

0.7 пг/мл для IL-3 (Genzyme; стандартное обозначение, HIL3 C).

#### Культуральная среда

– 500 мл среды Дульбекко, модифицированной по способу Исков (среда IMDM; Гибко; стандартное обозначение: 04101980);

– 50 мл плодной телячьей сыворотки (декомплементированная, то есть нагретая при 55°C в течение 30 минут для инактивации фрагментов сывороточного комплемента) (Сигма; стандартное обозначение: F 4135);

+ 10 мг/мл гентамицина (1 мл раствора Гибко со стандартным обозначением: 043. 05710 D).

Перед самым употреблением добавляют человеческий рекомбинантный IL3 (Genzyme; стандартное обозначение: HIL3.C) в конечной концентрации 4 нг/мл.

#### г) Подготовка образцов

Испытуемые образцы готовят (путем разбавления в культуральной среде без IL3) из раствора протеина NC30, происходящего из дрожжей и очищенного согласно разделу 12, в концентрации 500 нг/мл.

#### д) Протокол определения

Определение осуществляют в культуральных планшетах с 96 лунками с плоским дном, причем каждый образец анализируют в ряду из 12 лунок при использовании изменяемых концентраций. Культивируемые клетки линии МО7e должны находиться в экспоненциальной фазе роста.

Для определения, клетки промывают 2 раза культуральной средой без IL3 и инкубируют в течение 3 часов при 37°C. Эта инкубация позволяет лучше удалить IL3, ответственный за фон, при определении. Наконец, клетки снова центрифугируют и снова суспендируют в вышеуказанной культуральной среде (без IL3) в концентрации  $2.10^5$  клеток/мл.

В планшеты с 96 лунками последовательно вносят:

– либо 50 мкл культуральной среды (без IL3) в каждую лунку;

– либо 50 мкл культуральной среды (без IL3) и 10 мкл раствора GMCSF с концентрацией 200 пг/мл;

– либо 50 мкл испытуемого образца в различных концентрациях и 10 мкл раствора GMCSF с концентрацией 200 пг/мл;

– затем 50 мкг суспензии клеток, в каждую лунку (10 000 клеток/лунка).

Планшеты затем помещают в термостат с температурой 37°C и атмосферой, содержащей 5% диоксида углерода.

После инкубации в течение 3 дней, в каждую лунку, в стерильных условиях, добавляют 50 мкл раствора содержащего тритий тимицина (10 микрокюри/мл) (Амерсхам; стандартное обозначение: TRA6 = 1 милликюри/мл – 10 микрокюри/мл) в культуральной среде без IL3. Планшет помещают в термостат. По истечении 4 часов, содержимое каждой лунки наносят на фильтр путем отсасывания из лунок и промывки дистиллированной водой и измеряют радиоактивность фильтра.

#### 2) Результаты

Основные полученные результаты представлены в нижеприводимой таблице 5, в которой указываются значение радиоактивности, выраженное числом импульсов "в минуту, для среды без GMCSF и без протеина NC30 и величина радиоактивности для среды, содержащей 18 пг/мл GMCSF, в зависимости от концентрации протеина NC30.

Представленные здесь величины радиоактивности являются средними значениями из 11 опытов для среды без GMCSF, так же как для среды, содержащей только GMCSF, и из 7 опытов для сред, содержащих GMCSF и протеин NC30. Значения этих средних величин сравнивают, используя критерий Стьюдента, со степенью достоверности выше 99.95%.

Таблица 5  
Радиоактивность в зависимости от концентрации протеина NC30

Концентрация протеина NC30 (нг/мл)	0	0.49	1.95	7.8	31.2	125	500
радиоактивность (число импульсов в минуту) для среды без GMCSF	550	/	/	/	/	/	/
Радиоактивность (число импульсов в минуту) для среды содержащей 18 пг/мл GMCSF	14462	16852	18840	20264	20549	20685	21784
Значительное отклонение с вероятностью > 99.95 %	/	нет	да	да	да	да	да

Из вышеприведенной таблицы следует, что протеин NC30 значительно увеличивает пролиферацию линии MO7e в присутствии GMCSF.

### Раздел 18

#### Выявление для протеина NC30 хемотаксисной активности

##### 1) Используемый метод

###### а) Выделение нейтрофилов

Из периферической крови удаляют большую часть эритроцитов путем осаждения при 37°C в течение 30 минут в растворе, содержащем 0.6 % декстрана T500 (Фармация; стандартное обозначение: 17-0320-01) и 0.09 % хлорида натрия. Затем клетки помещают поверх слоя Ficoll-Paque (Фармация) и центрифугируют в течение 30 минут при 400 g. Мононуклеарные клетки периферической крови (PBMNC) находятся на границе раздела между Ficoll и супернатантом, тогда как остаточные эритроциты и многоядерные элементы (в основном нейтрофилы) находятся в осадке клеток. Этот осадок снова суспенсируют в 0.8% растворе хлорида аммония в 10 mM Гепес и инкубируют в течение 7 минут при 37°C для деструкции эритроцитов. Остаточные клетки (в основном нейтрофилы) центрифугируют и промывают в буфере HBSS: сбалансированный солевой раствор Хенкса (Гибко BRL; стандартное обозначение: 041-04025 H), называемый ниже раствором HBSS.

###### б) Выделение моноцитов

Принцип выделения моноцитов описывается А. Воум, 1983, Scan, J. Immunol, 17, 429-436. Ниже приводится его краткое изложение: Метод заключается в выделении моноцитов из крови при использовании среды с содержащим иод градиентом, Nycodenz (N,N'-бис(2,3-дигидроксипропил)-5-/N-(2,3-дигидрок-сипропил)ацетамидо/-2,4,6-трииодизо-фталамид). Для усиления различия в плотности между моноцитами и лимфоцитами, повышают осмолярность раствора, следовательно, лимфоциты теряют воду и становятся более плотными. Можно использовать среду "NycoPrep 1.068", которая содержит Nycodenz, хлорид натрия и трицин/NaOH в оптимальных концентрациях, для выделения моноцитов (Nycomed Pharma AS, Норвегия; стандартное обозначение: 223510).

Используемым протоколом (методикой) является следующий:

Из периферической крови удаляют большую часть эритроцитов путем осаждения при 37°C в течение 30 минут в растворе, содержащем 0.6 % декстрана и 0.09 % хлорида натрия. Отбирают верхнюю фазу плазмы, содержащей моноциты, лимфоциты и нейтрофилы. Для отделения моноцитов от других клеток подготавливают пробирки следующим образом: 6 мл плазмы помещают на слой из 3 мл NycoPrep 1.068 (Nycomed Pharma AS, Норвегия; стандартное (7 обозначение: 223510) в пробирке диаметром 13 – 14 мм. После центрифугирования при 600 g в течение 15 минут, отбирают осветленную плазму на 3 – 4 мм выше промежуточной фазы и собирают остаток плазмы и весь раствор NycoPrep вплоть до примерно на 1 см выше осадка клеток, что позволяет не отбирать лимфоциты. Собранную суспензию моноцитов дополняют до объема 6 - 7 мл с помощью раствора следующего состава: 0.9 % хлорида натрия, 0.13 % ЭДТК, 1 % бычьего сывороточного альбумина, затем центрифугируют в течение 7 минут при 600 g.

Моноциты загрязнены тромбоцитами. Для удаления тромбоцитов, центрифугируют, затем отбирают супернатант и снова суспенсируют в том же растворе, повторяя эти операции 3 раза.

Клетки суспенсируют снова в среде RPMI 1640 (Гибко), содержащей бычий сывороточный альбумин (BSA) в количестве 0.5 %.

## в) Протокол выявления хемотаксиса

Используемым тестом является описанный W. Falk и др., 1980, J. Imm. Meth., 33, 239-247.

Ниже приводится конкретно используемый протокол (методика)

Для определения хемотаксиса используют модифицированную камеру Бойдена, выпускаемую в продажу фирмой Neuroprobe (стандартное обозначение: AP48). Испытуемые образцы, разбавленные в растворе HBSS для тестов на нейтрофилы, и в среде RPMI, содержащей 0.5% бычьего сывороточного альбумина для тестов на моноциты, помещают в лунки нижнего планшета. На него помещают поликарбонатную мембрану (размер пор: 5 мкм; Nuclepore; стандартное обозначение: 155845) глянцевой стороной вниз. На мембрану помещают верхний планшет. Клетки (50000 на 50 мкл буфера) вносят в лунки верхнего планшета. Камеру инкубируют при 37°C в термостате, содержащем влагу, или в содержащем смоченную вату кожухе (une boite, в течение 1 часа для теста на нейтрофилы и в течение 3 часов для теста на моноциты. Мембрану вынимают и удаляют клетки, которые находятся на матовой стороне (клетки, которые не мигрировали), путем осущения мембранны скобления ее с помощью скребка из каучука, причем эти две последние операции повторяют 1 раз. Мигрировавшие клетки окрашивают и фиксируют, используя набор "Diff-quick" (Dad, стандартное обозначение: 130832). Путем наблюдения в микроскоп подсчитывают число клеток с глянцевой стороны мембранны (мигрировавшие клетки). Затем рассчитывают индекс хемотаксиса образца по отношению к рассматриваемым клеткам (моноциты или нейтрофилы), который определяют как соотношение числа мигрировавших в образец клеток к числу клеток, которые в контрольном эксперименте мигрировали в среду или буфер для разбавления.

## 3) Подготовка образцов

## а) Образцы рекомбинантного протеина NC30:

протеин NC30, происходящий от дрожжей, очищенный, как описано в разделе 12, в концентрациях 0,1, 1, 10 и 100 нг/мл.

## б) Контроль

пептид формил-Met-Leu-Phe, обычно называемый fMLP (Сигма; стандартное обозначение: F 3506), в концентрации 1 мкмоль (концентрация, обычно используемая для применения в качестве положительного контроля хемотаксиса).

## 4) Результаты

Основные полученные результаты представлены в нижеприводимой таблице 6, в которой указывается индекс хемотаксиса по отношению к моноцитам и индекс хемотаксиса по отношению к нейтрофирам для протеина NC30 в различных концентрациях и контроля fMLP. Этот индекс рассчитывают из среднего из четырех независимых экспериментов.

Таблица 6

Протеин NC30 (нг/мл)	Индекс хемотаксиса по отношению к моноцитам	Индекс хемотаксиса по отношению к нейтрофирам
0.1	2.2	0.6
1	4.1	1.0
10	6.1	1.2
100	5.1	1.1
fMLP (1 мкмоль)	3.0	3.8

Устанавливают, что в испытуемых концентрациях, протеин NC30 не оказывает значительного воздействия на нейтрофилы, но в концентрации 1, 10 и 100 нм/мл он имеет индекс хемотаксиса по отношению к моноцитам отчетливо выше такового fMLP.

Протеин NC30, следовательно, является сильным и специфичным хемоаттрактантом для моноцитов.

## Раздел 19

## Иммуномодуляторная активность ин виво в случае мыши

Происходящий от дрожжей, очищенный протеин NC30 испытывают на его иммуномодуляторную активность в двух системных инфекционных моделях в случае мыши.

## 1) Материал и метод

## а) Животные

Для этого исследования используют самок мышей CD1, поставляемых C. River (FR), со средней массой 25 г. Используемые группы включают 8 или 10 мышей.

## б) Бактериальные штаммы

Инфекционными штаммами являются штамм *Listeria monocytogenes*, депонированный в Коллекции института Пастера под номером CIP 5734, и штамм. *E. coli*, клинический изолят, хранящиеся при -70°C.

## в) Образцы

Протеин NC30, происходящий от дрожжей, очищенный, как описано в разделе 12, используют разбавленным в 0.15 М раствора хлорида натрия, содержащем 1 объемн.% мышиной плазмы. Этот раствор служит контролем.

## г) Обработка мышей

После распределения мышей на несколько групп, вводят протеин NC30 интраперитонеально в дозах 2 и 20 мкг/кг, в интервалы времени за 24 или 4 часа до инфекции.

Контрольную группу обрабатывают разбавителем.

## д) Инфекционные модели

Используют две инфекционные септицемические модели, применяя штаммы *E. Coli* и *L. Monocytogenes*. Эти модели описываются Kong-Tek-Chong, 1987, Infection and Immunity, 55, 3, с. 668-673; и M. Haakfrendscho и др. Infection and Immunity, 1989, 57, 10, с. 3014-3021.

Штаммы *E. coli* и *L. Monocytogenes* культивируют в питательном бульоне (Nutrient Broth, Oxoid) в течение 18 часов при 37°C. Объем 0.5 мл соответствующего разбавления культурального бульона, соответствующего  $5 \times 10^6$  UFC (образующая колонию единица) вводят мышам интраперитонеально. Ежедневно вплоть до десятого дня регистрируют гибель мышей в различных группах.

## е) Статистика

Число выживших мышей, обнаруживаемое в обработанных группах, сравнивают с таким же контролем группой с помощью теста *chi2*. Различие считают значительным, когда вероятность выше 95%.

## 2) Результаты

а) Инфекция с помощью *L. Monocytogenes*

Группы мышей, обработанные интраперитонеально в интервалы времени Е за 24 или 4 часа до инфекции с помощью 2 или 20 мкг/кг протеина NC30, ведут себя как контрольные группы. Не установлено никакого улучшения степени выживания.

б) Инфекция с помощью *E. Coli*

Результаты представлены в нижепроводимой таблице 7, в которой указывается доля выживших мышей в подвергающихся испытанию группах:

Таблица 7

Число выживших мышей / число мышей, инфицированных с помощью *E. Coli* в зависимости от дозы протеина NC30 и интервала времени Т, отделяющего обработку от инфекции

Т Доза (мкг/кг)	24 часа		4 часа		
	Пример 1	Пример 1	Пример 2	Пример 3	
0 (контроль)	3/8	1/10	1/8	2/8	
2	3/8	5/8*	3/8	2/8	
20	7/8*	не опред.	5/8*	3/8	

\* значительное различие по сравнению с контролем вероятности выше 95 %.

Устанавливают:

Мыши, обработанные интра-перитонеально за 24 часа до инфекции с помощью 20 мкг/кг протеина NC30, значительно лучше устойчивы к микробной инфекции, чем мыши контрольной группы.

Профилактическая обработка, осуществляемая за 4 часа до инфекции интраперитонеально, эффективна в двух из трех реализуемых экспериментов и позволяет значительно повысить степень выживания обработанных животных по сравнению с таковой контрольных животных. В первом эксперименте эффективна только одна испытываемая доза 2 мкг/кг. Во втором эксперименте одна доза 20 мкг/кг защищает мышей от инфекции с помощью *E. coli*.

В другой серии экспериментов, осуществляемых на группах из 20 мышей, устанавливают, что доза 32 мкг/кг протеина NC30, происходящего от дрожжей, очищенного как описано в разделе 12, вводимая за 24 часа до инфекции с помощью *E. coli*, позволяет достигать отчетливо более

значительной степени выживания мышей: 11 из 20 по сравнению с 2 из 20 в случае контроля. Установленное различие является значительным с вероятностью выше 99%, согласно критерию Стьюдента.

Протеин НС30, следовательно, также ин виво обладает иммуномодуляторным эффектом.

Протеин НС30, следовательно, является новым лимфокином, обладающим иммуномодуляторными активностями цитокинового типа ин витро (пролиферация клеток, клеточная активация, хемотаксис и регуляция синтеза других цитокинов) и ин виво. Он оказывает воздействие, по крайней мере, на два типа ключевых клеток относящейся к иммунитету системы: моноциты и В-лимфоциты. Следовательно, речь идет о новом интерлейкине. Некоторые из его свойств являются общими с интерлейкином-4: ингибирование синтеза интерлейкина-1 $\beta$  и интерлейкина-6 человеческими моноцитами периферической крови, активированными с помощью ЛПС, и модуляция экспрессии антигена CD23 в В-лимфоцитах миндалин (W. Paul, 1991, Blood, 77, 1959, и Waal Malefyt и др., 1991, J. Exp., Med., 174, 1199-1220).

#### **Формула изобретения**

1. Протеин, обладающий цитокиновой активностью, отличающейся тем, что он включает последовательность (a<sub>1</sub>):

Gly	Pro	Val	Pro	Pro	Ser	Thr	Ala	Leu	Arg	Glu	Leu	Ile	Glu	Glu	Leu
1															
5															
10															
15															
Val	Asn	Ile	Thr	Gln	Asn	Gln	Lys	Ala	Pro	Leu	Cys	Asn	Gly	Ser	Met
20															
25															
30															
35															
40															
45															
Ser	Leu	Ile	Asn	Val	Ser	Gly	Cys	Ser	Ala	Ile	Glu	Lys	Thr	Gln	Arg
50															
55															
60															
Met	Leu	Ser	Gly	Phe	Cys	Pro	His	Lys	Val	Ser	Ala	Gly	Gln	Phe	Ser
65															
70															
75															
80															
Ser	Leu	His	Val	Arg	Asp	Thr	Lis	Ile	Glu	Val	Ala	Gln	Phe	Val	Lys
85															
90															
95															
Asp	Leu	Leu	Leu	His	Leu	Lys	Leu	Phe	Arg	Glu	Gly	Arg	Phe	Asn	
100															
105															
110															

в которой Xaa означает Asp или Gly, или последовательность, степень гомологии которой с последовательностью (a<sub>1</sub>) такова, что отношение одинаковых аминокислот к общему числу аминокислот составляет, по меньшей мере, 80%.

2. Протеин по п. 1, отличающийся тем, что он включает непосредственно выше последовательности (a<sub>1</sub>) последовательность: Ser Pro.

3. Протеин по любому из пп. 1 и 2, отличающийся тем, что он имеет молекулярную массу около 9.0 ± 2 kDa.

4. Протеин по любому из пп. 1 и 2, отличающийся тем, что он имеет молекулярную массу около 16.0 ± 2 kDa.

5. Протеин по любому из пп. 1 и 2, отличающийся тем, что он N-гликозилирован.

6. Протеин по любому из пп. 1 и 2, отличающийся тем, что он имеет степень чистоты, определяемую путем электрофореза на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия и проявления серебром, выше 70%.

7. Протеин по любому из пп. 1 и 2, отличающийся тем, что он имеет степень чистоты, определяемую путем электрофореза на полиакриламидном геле в присутствии додецилсульфата натрия и проявления серебром, выше 90%.

8. Рекомбинантная ДНК, отличающаяся тем, что она кодирует протеин по пп. 1 и 2 или предшественник этого протеина, содержащий сигнальную последовательность, выбиравшую из следующих последовательностей:

Met	Ser	Ser	Pro	Leu	Lys	Asn	Ala	Leu	Val	Thr	Ala	Met	Leu	Ala	Gly
1															
5															
10															
15															
Gly	Ala	Leu	Ser	Ser	Pro	Thr	Lys	Gln	His	Val	Gly	Ile	Pro	Val	Asn
20															
25															
30															

Ala Ser Pro Glu Val Gly Pro Gly Lys Tyr Ser Phe Lys Gln Val Arg  
           35                 40                 45  
 Asn Pro Asn Tyr Lys Phe Asn Gly Pro Leu Ser Val Lys Lys Thr Tyr  
       50                 55                 60  
 Leu Lys Tyr Gly Val Pro Ile Pro Ala Trp Leu Glu Asp Ala Val Gln  
    65                 70                 75                 80  
 Asn Ser Thr Ser Gly Leu Ala Glu Arg  
                  85

(b1)

Met His Pro Leu Leu Asn Pro Leu Leu Leu Ala Leu Gly Leu Met Ala  
   1                 5                 10                 15  
 Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly Phe Ala  
   20                 25                 30

(b2)

Met His Pro Leu Leu Asn Pro Leu Leu Leu Ala Leu Gly Leu Met Ala  
   1                 5                 10                 15  
 Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly Phe Ala  
   20                 25                 30

(b3)

Met Ala Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly  
   1                 5                 10                 15  
 Phe Ala

Ser Pro

(b4)

Met Ala Leu Leu Leu Thr Thr Val Ile Ala Leu Thr Cys Leu Gly Gly  
   1                 5                 10                 15  
 Phe Ala Ser Pro  
   20

9. Рекомбинантная ДНК по п. 8, отличающаяся тем, что кодирующая зрелый протеин последовательность включает следующую последовательность (Na 1):

```

GGCCCTGTGC  CTCCTCTAC  AGCCCTCAGG  GAGCTCATTG
AGGAGCTGGT  CAACATCACC  CAGAACCGAGA  AGGCTCCGCT
CTGCAATGGC  AGCATGGTAT  GGAGCATCAA  CCTGACAGCT
GACATGTACT GTGCAGCCCT  GGAATCCCTG  ATCAACGTGT
CAGGCTGCAG TGCCATCGAG  AAGACCCAGA  GGATGCTGAG
CGGATTCTGC CCGCACAAAGG TCTCAGCTGG  GCAGTTTCC
AGCTTGCATG TCCGAGACAC  CAAAATCGAG  GTGGCCCAGT
TTGTAAAGGA CCTGCTCTTA  CATTAAAGA  AACTTTTCG
CGAGGGACGG TTCAAC
  
```

10. Рекомбинантная ДНК по п. 8, отличающаяся тем, что кодирующая зрелый протеин последовательность включает следующую последовательность (Na 1'):

```

GGCCCTGTGC  CTCCTCTAC  AGCCCTCAGG  GAGCTCATTG
AGGAGCTGGT  CAACATCACC  CAGAACCGAGA  AGGCTCCGCT
CTGCAATGGC  AGCATGGTAT  GGAGCATCAA  CCTGACAGCT
GGCATGTACT GTGCAGCCCT  GGAATCCCTG  ATCAACGTGT
CAGGCTGCAG TGCCATCGAG  AAGACCCAGA  GGATGCTGAG
CGGATTCTGC CCGCACAAAGG TCTCAGCTGG  GCAGTTTCC
AGCTTGCATG TCCGAGACAC  CAAAATCGAG  GTGGCCCAGT
TTGTAAAGGA CCTGCTCTTA  CATTAAAGA  AACTTTTCG
  
```

CGAGGGACGG TTCAAC

11. Рекомбинантная ДНК по п. 9 или 10, отличающаяся тем, что нуклеотидные последовательности, кодирующие сигнальные последовательности (b1), (b2), (b3) и (b4), являются, соответственно, следующими:

(Nb1)

ATGCATCCGC TCCTCAATCC TCTCCTGTTG GCACTGGGCC  
TCATGGCGCT TTTGTTGACC ACGGTATTG CTCTCACTTG  
CCTTGGCGGC TTTGCC

(Nb2)

ATGCATCCGC TCCTCAATCC TCTCCTGTTG GCACTGGGCC  
TCATGGCGCT TTTGTTGACC ACGGTATTG CTCTCACTTG  
CCTTGGCGGC TTTGCCTCCC CA

(Nb3)

ATGGCGCTTT TGTTGACCAC GGTCAATTGCT CTCACTTGCC  
TTGGCGGCTT TGCC

(Nb4)

ATGGCGCTTT TGTTGACCAC GGTCAATTGCT CTCACTTGCC  
TTGGCGGCTT TGCCTCCCCA

12. Вектор экспрессии, отличающийся тем, что он включает, вместе с необходимыми для ее экспрессии средствами, рекомбинантную ДНК по любому из пп. 8-11.

13. Эукариотические клетки, отличающиеся тем, что они содержат, с необходимыми для их экспрессии средствами, рекомбинантную ДНК по любому из пп. 8-11.

14. Эукариотические клетки по п. 13, отличающиеся тем, что они представляют собой клетки животных.

15. Клетки животных по п. 14, отличающиеся тем, что они содержат вектор экспрессии по п. 12.

16. Клетки животных по п. 15, отличающиеся тем, что они представляют собой клетки яичника китайского хомячка (CHO).

17. Клетки животных по п. 15, отличающиеся тем, что они представляют собой клетки почек обезьяны (COS).

18. Эукариотические клетки по п. 13, отличающиеся тем, что они представляют собой дрожжевые клетки.

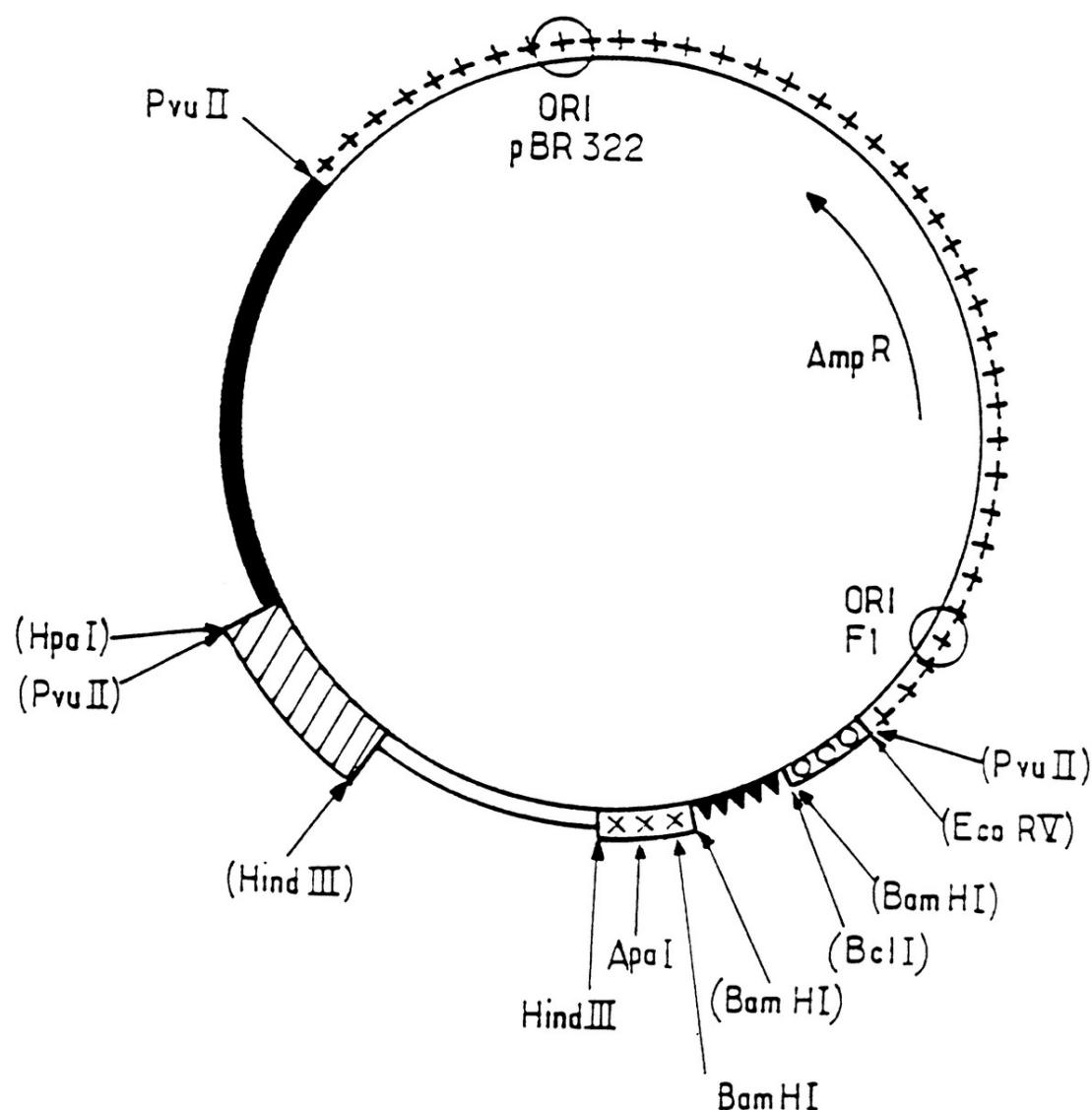
19. Прокариотический микроорганизм, отличающийся тем, что он трансформирован экспрессирующим вектором по п. 12.

20. Прокариотический микроорганизм по п. 19, отличающийся тем, что он относится к виду *E. coli*.

21. Способ получения протеина по любому из пп. 1-7, отличающийся тем, что он включает стадию культивирования животных клеток по любому из пп. 14-17, затем стадии выделения и очистки рекомбинантного протеина.

22. Способ получения протеина по любому из пп. 1-7, отличающийся тем, что он включает стадию культивирования дрожжевых клеток по п. 18, затем стадии выделения и очистки рекомбинантного протеина.

23. Лекарственное средство, содержащее активное начало и, по крайней мере, один фармацевтически приемлемый эксципиент, отличающееся тем, что активное начало представляет собой протеин по одному из пп. 1-7.



Фиг. 1а

сайт связывания с Hind III

▼AGCTGGCTGCATCTCCTTACGCGCCGCCCTACCTGAGGCCGCATCCACGCC  
1 ----- 60  
CCGAGCGTAGAGAGGAAGTGCAGGGCGGCGGGATGGACTCCGGCGGTAGGTGCGG  
  
GGTGAGTCGCGTTCTGCCGCCTCCGCCTGTGGTGCCTCCTGAAC TGCGTCCGCCGTCTA  
61 ----- 120  
CCACTCAGCGCAAGACGGCGGAGGGCGGACACCACGGAGGACTTGACGCAGGCGGCAGAT  
  
GGTAGGCTCCAAGGGAGGCCGGACAAAGGCCGGTCTGACCTGAGCTCTAAACTTACCTA  
121 ----- 180  
CCATCCGAGGTTCCCTCGGCCTGTTCCGGGCCAGAGCTGGACTCGAGATTGAATGGAT  
  
GACTCAGCCGGCTCTCACGCTTGCCCTGACCCCTGCTCAACTCTACGTCTTGT  
181 ----- 240  
CTGAGTCGGCCGAGAGGTGCGAACGGACTGGGACGAACGAGTTGAGATGCAGAAACAAA

Фиг. 16

CGTTTCTGTTCTGCGCCGTTACAACTTCAAGGTATGCGCTGGGACCTGGCAGGCAGGCAT  
241 ----- 300

GCAAAAGACAAGACGCGGCAATGTTGAAGTTCCATACGCGACCCTGGACCGTCCGCCGTA

.

CTGGGACCCCTAGGAAGGGCTTGGGGGTCCCTCGTCCCCAAGGCAGGAAACATAGTGGTCC  
301 ----- 360

GACCCCTGGGGATCCTTCCCACCCCCAGGAGCACGGGTTCCGTCCCTGTATCACCAAGG

CAGGAAGGGAGCAGAGGCATCAGGGTGTCCACTTGTCCTCCAGCTCCTGAGCCTGCA  
361 ----- 420

GTCCTTCCCCCTCGTCTCCGTAGTCCCACAGGTGAAACAGAGGCGTCGAGGACTCGGACGT

GA

-----

CTTCGA **▲**

HindIII

Фиг. 16 (продолжение)

Apal I

AGCTTGTCGACTAATACGACTCACTATAGGGCGGCCGCGGGCCCTGCAGGAATT  
ACAGCTGATTATGCTGAGTGATATCCC GCCGGCGCCGGGACGT CTTAAG  
Hind III

BamHI

GGATCCCCGGGTGACTGACT

сайт связывания с Hind III

CCTAGGGGGCCC ACTGACTGACTAG

Фиг. 1в

0	AAGCCACCCAGCCTATGCATCCGCTCCTCAATCCTCTCCTGTTGGCACTGGGCCTCATG	59
-4	<u>Meth</u> <u>His</u> <u>Pro</u> <u>Leu</u> <u>Leu</u> <u>Asn</u> <u>Pro</u> <u>Leu</u> <u>Leu</u> <u>Ala</u> <u>Leu</u> <u>Gly</u> <u>Leu</u> <u>Met</u>	15
60	GCGCTTTGTTGACCACGGTCATTGCTCTCACTTGCCTTGGCGGCTTGCGCTCCCCAGGC	119
16	AlaLeuLeuLeuThrThrValIleAlaLeuThrCysLeuGlyGlyPheAlaSerProGly	35
120	CCTGTGCCTCCCTCTACAGCCCTCAGGGAGCTCATTGAGGAGCTGGTCAACATCACCCAG	179
36	ProValProProSerThrAlaLeuArgGluLeuIleGluGluLeuValAsnIleThrGln	55
180	AACCAGAAGGCTCCGCTCTGCAATGGCAGCATGGTATGGAGCATCAACCTGACAGCTGAC	239
56	AsnGlnLysAlaProLeuCys <u>Asn</u> <u>Gly</u> <u>Ser</u> MetValTrpSerIle <u>Asn</u> <u>Leu</u> <u>Thr</u> AlaAsp	75
240	ATGTACTGTGCAGCCCTGGAATCCCTGATCAACGTGTCAGGCTGCAGTGCCATCGAGAAG	299
76	MetTyrCysAlaAlaLeuGluSerLeuIle <u>Asn</u> <u>Val</u> <u>Ser</u> GlyCysSerAlaIleGluLys	95
300	ACCCAGAGGATGCTGAGCGGATTCTGCCCGACAAGGTCTCAGCTGGCAGTTTCCAGC	359
96	ThrGlnArgMetLeuSerGlyPheCysProHisLysValSerAlaGlyGlnPheSerSer	115

Фиг. 2

360	TTGCATGTCCGAGACACCAAATCGAGGTGGCCCAGTTGTAAAGGACCTGCTCTTACAT	419
116	LeuHisValArgAspThrLysIleGluValAlaGlnPheValLysAspLeuLeuLeuHis	135
420	TTAAAGAAAATTTCGCGAGGGACGGTTCAACTGAAACTTCGAAAGCATCATTATTGC	479
136	LeuLysLysLeuPheArgGluGlyArgPheAsn	155
480	AGAGACAGGACCTGACTATTGAAGTTGCAGATTCATTTCTTGATGTCAAAATGT	539
540	CTTGGGTAGGCCGGAAAGGAGGGTAGGGAGGGTAAATTCCTAGCTTAGACCTCAGCC	599
600	TGTGCTGCCGTCTCAGCCTAGCCGACCTCAGCCTCCCCCTGCCAGGGCTCAGCCTG	659
660	GTGGGCCTCCTCTGTCCAGGCCCTGAGCTCGGTGGACCCAGGGATGACATGTCCCTACA	719
720	CCCCTCCCCCTGCCCTAGAGCACACTGTAGCATTACAGTGGGTCCCCCTTGCCAGACAT	779
780	GTGGTGGGACAGGGACCCACTTCACACACAGGCAACTGAGGCAGACAGCAGCTCAGGCAC	839

Фиг. 2 (продолжение)

840	ACTTCTTCTTGGTCTTATTATTGTGTGTTATTAAATGAGTGTGTTGTCACCGTT	899
900	GGGGATTGGGAAGACTGTGGCTGGCACTGGAGCCAAGGGTCAGAGACTCAGGGC	959
960	CCCAGCACTAAAGCAGTGGACCCAGGAGTCCCTGGTAATAAGTACTGTGTACAGAATT	1019
1020	TGCTACCTCACTGGGTCCTGGGCCTCGGAGCCTCATCCGAGGCAGGGTCAGGAGAGGG	1079
1080	GCAGAACAGCCGCTCCTGTCTGCCAGCCAGCAGCTCTCAGCCAACGAGTAATTAT	1139
1140	TGTTTTCTCGTATTAAATATTAAATATGTTAGCAAAGAGTTAATATATAGAAGGGTA	1199
1200	CCTTGAACACTGGGGAGGGACATTGAACAAGTTGTTCATGACTATCAAACGTGAAGC	1259
1260	CAGAAATAAAGTTGGTGACAGATAAAAAAAAAAAAAA... 1300	

Фиг. 2 (окончание)

```

1 MetHisProLeuLeuAsnProLeuLeuLeuAlaLeuGlyLeuMetAlaLeuLeuLeuThr 20
| | | |
1 . . . . . . . . . . . . . . . . MetAlaLeuTrpValThr 6

21 ThrValIleAlaLeuThrCysLeuGlyGlyPheAlaSerProGlyProValProProSer 40
| | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
7 AlaValLeuAlaLeuAlaCysLeuGlyGlyLeuAlaAlaProGlyProValProArgSer 26

41 ThrAla . . . . LeuArgGluLeuIleGluGluLeuValAsnIleThrGlnAsn 56
| | | | | | | | | | | | | | | |
27 ValSerLeuProLeuThrLeuLysGluLeuIleGluGluLeuSerAsnIleThrGlnAsp 46

57 GlnLysAlaProLeuCysAsnGlySerMetValTrpSerIleAsnLeuThrAlaAspMet 76
| | | | | | | | | | | | | |
47 Gln . ThrProLeuCysAsnGlySerMetValTrpSerValAspLeuAlaAlaGlyGly 65

```

Фиг. 3

77 TyrCysAlaAlaLeuGluSerLeuIleAsnValSerGlyCysSerAlaIleGluLysThr 96  
| | | | | | | | | | | | |  
66 PheCysValAlaLeuAspSerLeuThrAsnIleSerAsnCysAsnAlaIleTyrArgThr 85

97 GlnArgMetLeuSerGlyPheCysProHisLysValSerAlaGlyGlnPheSerSerLeu 116  
| | | | | | | | | | | | |  
86 GlnArgIleLeuHisGlyLeuCysAsnArgLysAlaProThrThrValSerSer . . 103

117 HisValArgAspThrLysIleGluValAlaGlnPheValLysAspLeuLeuLeuHisLeu 136  
| | | | | | | | | | | | |  
104 . LeuProAspThrLysIleGluValAlaHisPheIleThrLysLeuLeuSerTyrThr 122

137 LysLysLeuPheArgGluGlyArgPheAsn 146  
| | | | | | | | | | | | |  
123 LysGlnLeuPheArgHisGlyProPhe . 131

Фиг. 3 (продолжение)

Фиг. 4

212	ACCTGACAGCTGACATGTACTGTGCAGCCCTGGAATCCCTGATCAACGTG 	261
227	ACCTGGCCGCTGGCGGGTTCTGTGTAGCCCTGGATTCCCTGACCAACATC .	276
262	TCAGGCTGCAGTGCCATCGAGAAGACCCAGAGGGATGCTGAGCGGATTCTG 	311
277	TCCAATTGCAATGCCATCTACAGGACCCAGAGGGATATTGCATGGCCTCTG .	326
312	CCCGCACAAAGGTCTCAGCTGGCAGTTTCCAGCTTGCATGTCCGAGACA 	361
327	TAACCGCAAGGCCAC.....TACGGTCTCCAGCCTCCCCGATA .	367
362	CCAAAATCGAGGTGGCCCAGTTGTAAAGGACCTGCTCTTACATTTAAAG 	411
368	CCAAAATCGAAGTAGCCCACTTATAACAAAAGTGCTCAGCTACACAAAG .	417
412	AAACTTTTCGCGAGGGACGGTTCAACTGA 	441
418	CAACTGTTCGCCACGGCCCTTCTAATGA..... .	447

Фиг. 4 (продолжение)

H  
i  
n  
d  
I  
I  
I

AGCTTGGATAAAAGATCCCCAGGCCCTGTGCCTCCCTCTACGGCCCTCAGGGAGCTCAT  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
ACCTATTCTAGGGTCCGGGACACGGAGGGAGATGCCGGAGTCCCTCGAGTA

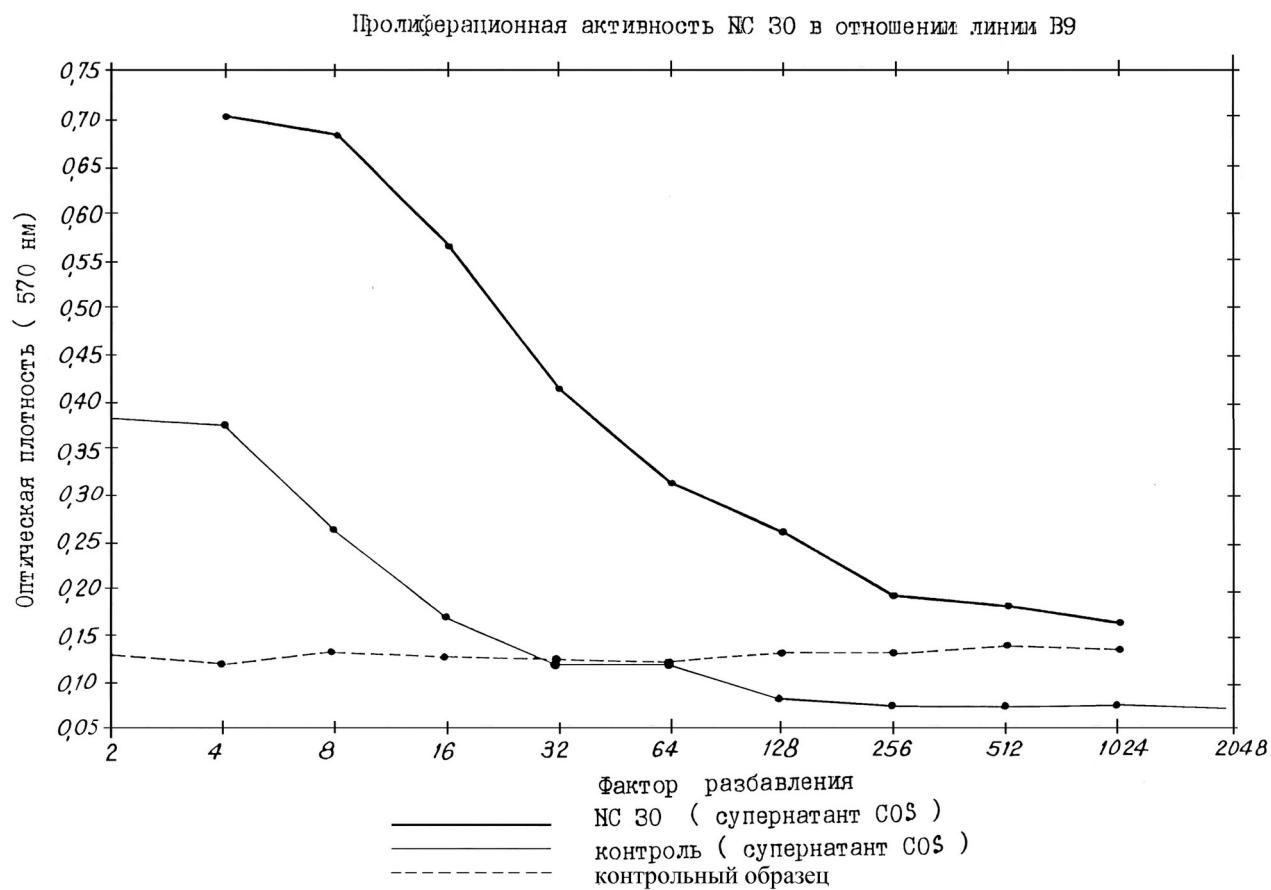
TGAGGAGCTGGTCAACATCACCCAGAACCAAGGCTCCGCTCTGCAATGGCAGCAGTGGT  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
ACTCCTCGACCAGTTGTAGTGGGTCTTGGTCTTCCGAGGGAGACGTTACCGTCGTACCA

ATGGAGCATCAACCTGACAGCTGACATGTACTGTGCAGCCCTGGAATCCCTGATCAACGT  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
TACCTCGTaGTTGGACTGTCGACTGTACATGACACGTCGGGACCTTAGGGACTAGTGCA

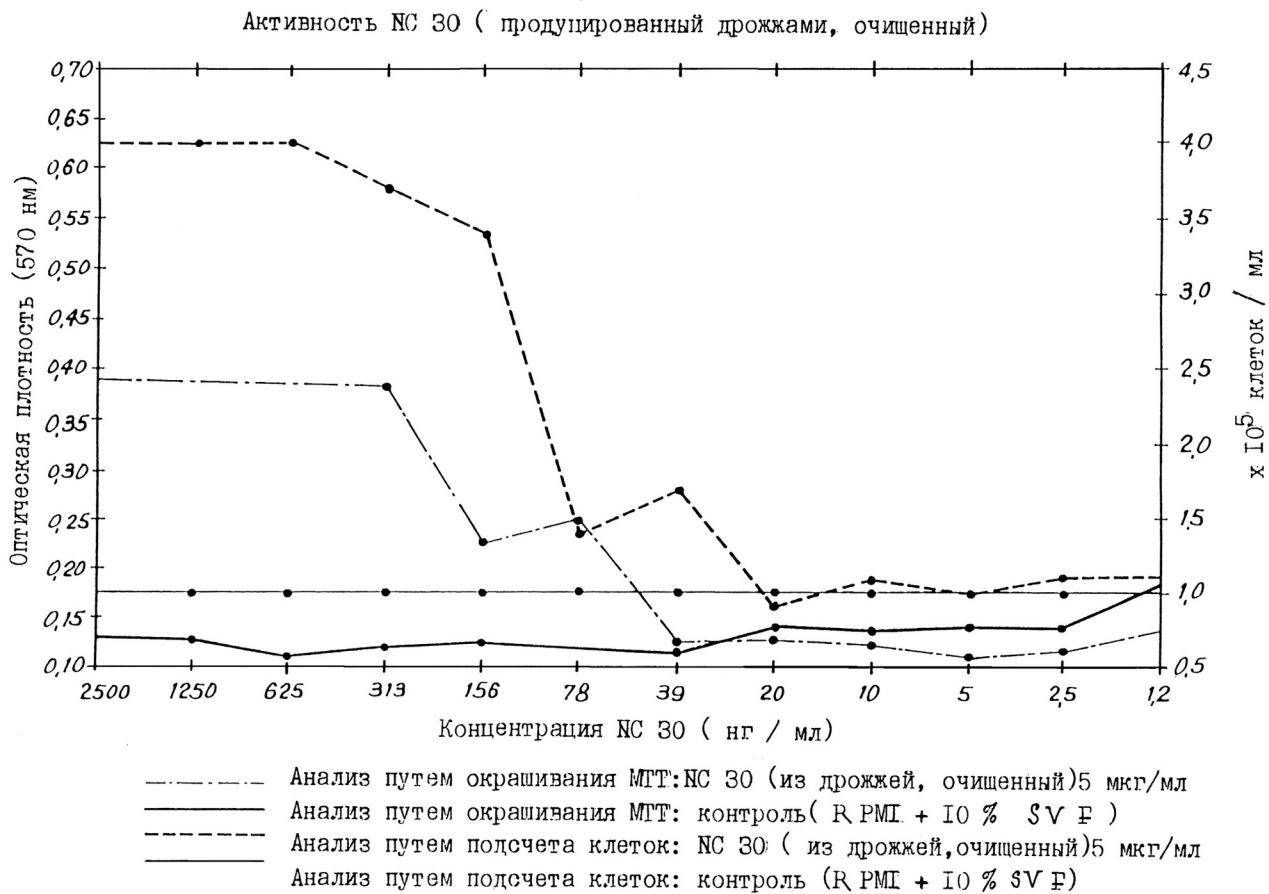
Фиг. 5

GTCAGGCTGCAGTGCCATCGAGAAGACCCAGAGGATGCTGAGCGGATTCTGCCGCACAA  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
CAGTCCGACGTCACGGTAGCTCTGGGTCTCCTACGACTCGCCTAAGACGGCGTGTT  
  
GGTCTCAGCTGGGCAGTTTCCAGCTTGCATGTCCGAGACACCAAAATCGAGGTGGCCA  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
CCAGAGTCGACCCGTAAAAGGTCGAACGTACAGGCTCTGTGGTTTAGCTCCACCGGGT  
  
GTTTGTAAAGGACCTGCTCTTACATTAAAGAAACTTTTCGCGAGGGACGGTTCAACTG  
-----+-----+-----+-----+-----+-----+  
CAAACATTCTGGACGAGAATGTAAATTCTTTGAAAAAGCGCTCCCTGCCAAGTTGAC  
  
B  
a  
m  
H  
I  
AAACTTCGAAAGCATCATTATTG  
-----+-----+  
TTTGAAGCTTCGTAGTAATAACCCCTAG

Фиг. 5 (продолжение)



Фиг. 6



Фиг. 7

Составитель описания  
Ответственный за выпуск

Никифорова М.Д.  
Арипов С.К.

---

Кыргызпатент, 720021, г. Бишкек, ул. Московская, 62, тел.: (312) 68 08 19, 68 16 41; факс: (312) 68 17 03